

(19) 日本国特許庁(JP)

(12) 公開特許公報(A)

(11) 特許出願公開番号

特開2012-44998

(P2012-44998A)

(43) 公開日 平成24年3月8日(2012.3.8)

(51) Int.Cl.		F I			テーマコード (参考)	
A O 1 H	1/00	(2006.01)	A O 1 H	1/00	Z N A A	2 B O 3 O
C 1 2 N	15/09	(2006.01)	C 1 2 N	15/00	A	4 B O 2 4

審査請求 有 請求項の数 4 O L (全 37 頁)

(21) 出願番号	特願2011-233392 (P2011-233392)	(71) 出願人	504258527 国立大学法人 鹿児島大学
(22) 出願日	平成23年10月24日 (2011.10.24)		鹿児島県鹿児島市郡元一丁目21番24号
(62) 分割の表示	特願2006-158794 (P2006-158794) の分割	(74) 代理人	100091096 弁理士 平木 祐輔
原出願日	平成18年6月7日 (2006.6.7)	(74) 代理人	100118773 弁理士 藤田 節
		(72) 発明者	橋本 文雄 鹿児島県鹿児島市郡元一丁目21番24号 国立大学法人鹿児島大学内
		(72) 発明者	清水 圭一 鹿児島県鹿児島市郡元一丁目21番24号 国立大学法人鹿児島大学内

最終頁に続く

(54) 【発明の名称】 花色の予測方法

(57) 【要約】

【課題】 花卉の花色を改変する方法を提供する。

【解決手段】 花卉の複対立遺伝子 H^Z 、 H^D 又はその両方のエクソン部分に、配列番号4の塩基配列又はそれらの配列と60%以上の同一性を有する若しくはそれらの配列とストリンジентな条件下でハイブリダイズする塩基配列を含むレトロトランスポゾンを挿入することを含む、ただし複対立遺伝子 H^D 又は H^Z が、フラボノイド生合成の前駆物質でのB環の水酸化に関して3'、5'位の水酸化を制御し、デルフィニジン (Dpn) の生合成に関与する遺伝子である、花卉の花色を改変する方法。

【選択図】 なし

【特許請求の範囲】

【請求項 1】

花卉の複対立遺伝子 H^Z 、 H^D 又はその両方のエクソン部分に、配列番号 4 の塩基配列又はそれらの配列と 60% 以上の同一性を有する若しくはそれらの配列とストリンジェントな条件下でハイブリダイズする塩基配列を含むレトロトランスポソンを挿入することを含む、ただし複対立遺伝子 H^D 又は H^Z が、フラボノイド生合成の前駆物質での B 環の水酸化に関して 3'、5' 位の水酸化を制御し、デルフィニジン (Dpn) の生合成に關与する遺伝子である、花卉の花色を改変する方法。

【請求項 2】

エクソンが第 1 エクソンである、請求項 1 に記載の方法。

10

【請求項 3】

花色の改変が、複対立遺伝子 H^D 又は H^Z の機能を失い、新たに複対立遺伝子 H^T 又は H^F の機能を獲得することによって生じる、ただし複対立遺伝子 H^T が、フラボノイド生合成の前駆物質での B 環の水酸化に関して 3' 位の水酸化を制御し、ペラルゴニジン (Pgn) とシアニジン (Cyn) の生合成に關与する遺伝子であり、複対立遺伝子 H^F がフラボノイド生合成の前駆物質での B 環の水酸化に関して、ペラルゴニジン (Pgn) の生合成に關与する遺伝子である、請求項 1 又は 2 に記載の方法。

【請求項 4】

花卉が、双子葉植物又は単子葉植物から選択される、請求項 1 ~ 3 のいずれか 1 項に記載の方法。

20

【発明の詳細な説明】

【技術分野】

【0001】

本発明は、花卉の花色発現に重要な役割を演じているフラボノイド 3'、5' - ヒドロキシラーゼ ($F3'$ 、 $5'H$) の遺伝子、並びに、この遺伝子を利用する花色の予測及び改変方法に関する。より詳しくは、本発明は、フラボノイド生合成に關与し、遺伝する花色遺伝型交配法の育種法に用いることができる $F3'$ 、 $5'H$ 遺伝子構造が含まれる複対立遺伝子、及び / 又は、複対立遺伝子にレトロトランスポソン遺伝子が挿入された $F3'$ 、 $5'H$ 遺伝子を利用して、開花前の花卉の花色を予測する方法、或いは、花色を改変する方法に関する。

30

【背景技術】

【0002】

花色発現の発現遺伝子に関する研究は、1980年代の前半より1990年代の後半の約20年間で大きな飛躍を遂げている。花色発現に関わる植物の生合成経路として、フラボノイド生合成がよく知られている。本経路の代謝産物であるフラボノイド中、特に、黄色い色を発現するフラボノール配糖体の色素や、赤から紫、青などの花色発現に重要なアントシアニンの色素は、他の色素と比べると普遍的に存在する。

【0003】

トウモロコシ、キンギョソウ、ペチュニアの花色発現遺伝子の研究に関して、アントシアニン生合成の酵素をコードする構造遺伝子、例えば、カルコン合成酵素 (CHS)、カルコン異性化酵素 (CHI)、フラボン 3 - 水酸化酵素 ($F3H$)、フラボノイド 3' - 水酸化酵素 ($F3'H$)、フラボノイド 3'、5' - 水酸化酵素 ($F3'$ 、 $5'H$) などの報告がある。また、アントシアニン生合成を調節する遺伝子、例えば、 CHS 、 DFR 、 $3GT$ 、 ANS などを調節する遺伝子座の報告もある (非特許文献 1)。

40

【0004】

トルコギキョウの花色発現遺伝子に関して、メッセンジャー RNA (mNA) からコードされる $F3'$ 、 $5'H$ 遺伝子 ($F3'$ 、 $5'H$ - $cDNA$) をリンドウ、ペチュニア、ナスの類似遺伝子と比較した報告がある (非特許文献 2)。この遺伝子は、紫色の花色を発現するデルフィニジンの生合成に關与することが示されている。

50

【0005】

ペチュニアから単離したF3'5'-H cDNA、AK14をプローブとして利用し、トルコギキョウ (*Eustoma russelianum*) よりF3'5'-H cDNA、TG1を単離したという報告がある。さらに、TG1とAK14をペチュニアとタバコに挿入し、形質転換体植物の花色発現を調査した報告がある(非特許文献3)。さらにまた、フウリンソウ (*Campanula medium*) より単離したF3'5'-H cDNA、Ka1をタバコに挿入し、形質転換体植物の花色発現を調査し、本遺伝子が遺伝子工学を用いて花色を青色へ改変することのできる最も良好な遺伝子資源であるとの報告がある(非特許文献4)。

【0006】

ニチニチソウ (*Catharanthus roseus*) より得られたチトクロームP450依存型フラボノイド水酸化酵素に関する報告がある。また、ペチュニアより得られたCYP75 Hf1 cDNAをプローブにして、ニチニチソウでF3'5'-H cDNAについてスクリーニング (*heterologous screening*) を行った結果、両者より得られたフラボノイド水酸化酵素は68~78%の相同性のあることが報告されている(非特許文献5)。

【0007】

アサガオの花色多形に関して、アサガオの遺伝的表現型の変異は、通常遺伝子にトランスポゾンが挿入され、そのほとんどが改変された結果であるとの記載がある。また、アサガオの花色表現型を決定する遺伝子型が4つの遺伝子座で制御されるというメンデルの法則に従い、それらのなかでもA/a遺伝子座が上位優性 (*epistasis*) であるとの記載がある(非特許文献6)。

【0008】

トルコギキョウの花色発現に関わる遺伝子群の研究について、カルコン合成酵素 (CHS)、カルコン異性化酵素 (CHI)、フラボン3-水酸化酵素 (F3H)、フラボノイド3'、5'-水酸化酵素 (F3'5'H)、ジヒドロフラボノール還元酵素 (DFR)、アントシアニン合成酵素 (ANS) について、mRNAよりcDNAを合成し、それらの構造を解析したとの報告がある(非特許文献7)。これによると、トルコギキョウのF3'5'H cDNAは、1892bpの長さを持ち、これにより合成可能なフラボノイド3'、5'-水酸化酵素タンパクは510個のアミノ酸配列から成ることの記載がある。

【0009】

ツルニチニチソウ (*Vinca major*) の花色発現に関わるフラボノイド3'、5'-水酸化酵素 (F3'5'H) の研究に関して、ツルニチニチソウからPCR法により遺伝子クローンされたF3'5'H遺伝子を単離し、VmFH1と命名された。この遺伝子は、翻訳領域又は推定遺伝子領域 (*open reading frame*、ORF) の塩基配列は1518bpであり、885bpと633bpの2つのエクソン (*exon*) から成る。また、この遺伝子は506個のアミノ酸をコードし、デルフィニジンを生合成できることから、将来、ユリ科植物の青色花改変植物を得るための第一段階の研究であることの記載がある(非特許文献8)。

【0010】

ブドウ (*Vitis vinifera*) の果色発現に関わるアントシアニン生合成酵素遺伝子とその調節遺伝子の研究に関して、ブドウの果皮色は、myb-関連遺伝子であるVvmybA1遺伝子で発現し、品種「イタリア」と「ルビーオクヤマ」のクローン遺伝子の構造を解析した結果、VvmybA1遺伝子にはGret1 (*Grapevine retrotransposon 1*) と称するレトロトランスポゾンが含まれていることが分かり、これがVvmybA1遺伝子をコードする上流部分に挿入されている理由から、変異を生じ、野生型の紫色の果皮色から自然に白色様の果皮色が出現したとの記載がある(非特許文献9)。また、ブドウの品種「キャベネットサウヴィニオン (*Cabernet Sauvignon*)」より4つのフラボノイド3'-水酸化酵素 (F3'H

10

20

30

40

50

) の DNA の遺伝子配列を明らかにしたとの記載がある (非特許文献 10) 。 4 つの遺伝子は、それぞれ F 3 ' h 1 、 F 3 ' h 2 、 F 3 ' h 3 、 F 3 ' h 4 と称し、同様の位置に二つのイントロン (i n t r o n) が挿入され、アサガオ、ダイズ、アラビドプシスと同様であったとの記載がある (非特許文献 10) 。

【 0011】

ペチュニア園芸品種のアントシアニン 3 - グルコシド - ラムノシル変換酵素 (a n t h o c y a n i d i n 3 - g l u c o s i d e - r h a m n o s y l t r a n s f e r a s e 、 R T) の遺伝子に、トランスポゾン様因子が挿入されたとの記載がある。トランスポゾン様因子は d T p h 3 s と称し、これが R T 遺伝子の 1181 b p の位置に挿入されることによって、赤色の花色を発現することができるとの記載がある。さらに、このトランスポゾンの挿入は不安定であり、挿入 R T 遺伝子から容易に抜け出すことができ、抜け出した後には R T 遺伝子にフットプリントを残し、フットプリントのある R T 遺伝子の方が、トランスポゾン様因子 d T p h 3 s が挿入された R T 遺伝子に比べて、赤色花を育種するためにはより利用価値があるとの記載がある (非特許文献 11) 。

10

【 0012】

また、ペチュニアの F 3 ' 5 ' H をコードしている優性型遺伝子 H f 1 遺伝子と劣性型遺伝子 h f 1 に関して、H f 1 遺伝子の第 3 エクソン (e x o n) に、突然変異を起こすことのできる 2 つのトランスポゾン様因子 d T p h 9 と r T p h 1 がそれぞれ挿入された遺伝子が、結果として劣性遺伝子である h f 1 であることの報告がある (非特許文献 12) 。

20

【 0013】

特許文献 1 に、遺伝子型判定方法に関して、遺伝子にトランスポゾンが挿入された状態の長い DNA 断片、遺伝子にトランスポゾンが挿入されたものの抜けた状態又は正常な中くらいの長さの DNA 断片及びトランスポゾンのフットプリントに対応する短い DNA 断片の長さを電気泳動法によって分析し、その組み合わせにより、これらを区別して、遺伝子型を判定することができることが記載されている。

【 0014】

特許文献 2 に、ライムギなどのムギ類の新規なトランスポゾン様因子に関して、トランスポゾン様因子は、有用資源植物の分子育種に資するプローブ又はプライマー、更には染色体マーカーを開発するためのツールとして有用であるという記載がある。

30

【 0015】

特許文献 3 に、イネのトランスポゾン様 DNA 及びその利用方法が記載されている。このトランスポゾン様 DNA は、イネのフィトクローム A 遺伝子のプロモーター領域に存在する (T A / A T) の繰り返し配列からなるマイクロサテライトの解析をする過程で、マイクロサテライト内に 391 b p から成る DNA 断片として見出された。

【 0016】

特許文献 4 には、レトロトランスポゾン、プロモーター活性を有する DNA 断片、及びその利用の記載がある。

【 0017】

特許文献 5 には、タバコのレトロトランスポゾンを利用した遺伝子破壊法に関して、レトロトランスポゾン将该植物に導入する工程、及び該レトロトランスポゾンが導入された植物を培養することにより再分化させ、形質転換植物を作出する工程を包含する方法が記載されている。

40

【 0018】

特許文献 6 には、フラボノイド 3 ' 、 5 ' - ヒドロキシラーゼ活性を有する蛋白質及びそれをコードする核酸に関する記載がある。

【 0019】

特許文献 7 には、フラボノイド生合成をコードする遺伝子配列とその利用に関して、フラボノイド 3 ' - ヒドロキシラーゼ (F 3 ' H) 、又はその関連蛋白、これらを利用することによって植物や植物器官の色素発現を制御することが記載されている。

50

【0020】

特許文献8には、花色遺伝型交配法が記載されている。特に、フラボノイド生合成のB環の水酸化に関するフラボノイド3'-ヒドロキシラーゼ(F3'H)やフラボノイド3'、5'-ヒドロキシラーゼ(F3',5'H)、などの遺伝に着目し、その遺伝の分離を調べた結果、ペラルゴニジン(Pgn)、シアニジン(Cyn)、デルフィニジン(Dpn)の生合成に關与するジヒドロフラボノールリダクターゼ(DFR)及びアントシアニンシンターゼ(AS)の酵素系の遺伝が、それぞれPg/pg、Cy/cy、Dp/dpの遺伝子によって制御されていることと併せて、フラボノイド3'-ヒドロキシラーゼ(F3'H)やフラボノイド3'、5'-ヒドロキシラーゼ(F3',5'H)の遺伝が4つの複対立遺伝子(multiple allele)によって制御されているという法則を見出し、結果として、遺伝子組み替え、放射線等照射などによる突然変異を起こさせる方法を用いなくても、花卉の色素遺伝子型(pigment genotype)からその花色を自由に創成できること、また、色素前駆体のB環の水酸化に關与するフラボノイド3'-ヒドロキシラーゼ(F3'H)とフラボノイド3'、5'-ヒドロキシラーゼ(F3',5'H)の酵素反応系には、H^T、H^F、H^D、H^Oの4つの複対立遺伝子が存在し、これらが3'位の水酸化、5'位の水酸化、3'、5'位の水酸化、及び3'位と3'、5'位の水酸化を制御し、これらの組合せによって色素表現型と花色表現型が決定されることが記載されている。

10

【先行技術文献】

【特許文献】

20

【0021】

【特許文献1】特開2004-201582

【特許文献2】特開2005-73561

【特許文献3】特開平11-206374号公報

【特許文献4】特開2002-291473

【特許文献5】国際公開WO00/71699号パンフレット

【特許文献6】特開2000-23686

【特許文献7】米国特許出願公開2005081264号明細書

【特許文献8】国際公開WO2004/103065号パンフレット

【非特許文献】

30

【0022】

【非特許文献1】Holton, T. A. と Cornish, E. C., 「Genetics and Biochemistry of Anthocyanin Biosynthesis」、The Plant Cell、1995年、第7巻、第1071-1083頁

【非特許文献2】Nielsen, K. M. と Podivinsky, E., 「cDNA Cloning and Endogenous Expression of a Flavonoid 3',5'-Hydroxylase from Petals of Lisianthus (Eustoma grandiflorum)」、Plant Science、1997年、第129巻、第167-174頁

40

【非特許文献3】Shimada, Y., 他5名, 「Expression of Chimeric P450 Genes Encoding Flavonoid-3',5'-Hydroxylase in Transgenic Tobacco and Petunia Plants」、FEBS Letters、1999年、第461巻、第241-245頁

【非特許文献4】Okinaka, Y. ら, 「Selective Accumulation of Delphinidin Derivatives in Tobacco Using a Putative Flavonoid 3',5'-Hydroxylase cDNA from Campanula medium」、Bioscience Biotechnology and Biochemistry、200

50

3年、第67巻、第161 - 165頁

【非特許文献5】Kaltenbach, M. 5 「Flavonoid Hydroxylase from *Catharanthus roseus*: cDNA, Heterologous Expression, Enzyme Properties and Cell-Type Specific Expression in Plants」、*The Plant Journal*、1999年、第19巻、第183 - 193頁

【非特許文献6】Clegg, M. T. と Durbin, M. L.、 「Flower Color Variation: A Model for the Experimental Study of Evolution」、*Proceeding of the National Academy of Science Colloquium*、2000年、第97巻、第7016 - 7023頁

10

【非特許文献7】Noda 5、 「Regulation of Gene Expression Involved in Flavonol and Anthocyanin Biosynthesis during Petal Development in *Lisianthus* (*Eustoma grandiflorum*)」、*Physiologia Plantarum*、2004年、第122巻、第305 - 313頁

【非特許文献8】Mori, S. 5、 「Heterologous Expression of the Flavonoid 3', 5'-Hydroxylase Gene of *Vinca major* Alters Flower Color in Transgenic *Petunia hybrida*」、*Plant Cell Report*、2004年、第22巻、第415 - 421頁

20

【非特許文献9】Kobayashi, S. 5、 「Association of *Vv mybA1* Gene Expression with Anthocyanin Production in Grape (*Vitis vinifera*) Skin-Color Mutants」、*Journal of the Japanese Society of Horticultural Science*、2005年、第74巻、第196 - 203頁

【非特許文献10】Jeong, S. T. 5、 「Expression of the Flavonoid 3'-Hydroxylase and Flavonoid 3', 5'-Hydroxylase Genes and Flavonoid Composition in Grapes (*Vitis vinifera*)」、*Plant Science*、2006年、第170巻、第61 - 69頁

30

【非特許文献11】Nakajima, T. 5、 「Insertion and Excision of a Transposable Element Governs the Red Floral Phenotype in Commercial *Petunias*」、*Theoretical and Applied Genetics*、2005年、第110巻、第1038 - 1043頁

【非特許文献12】Matsubara, K. 5、 「Two Novel Transposable Elements in a Cytochrome P450 Gene Govern Anthocyanin Biosynthesis of Commercial *Petunias*」、*Gene*、2005年、第358巻、第121 - 126頁

40

【発明の概要】

【発明が解決しようとする課題】

【0023】

上記の特許文献の中で、遺伝子にトランスポゾン及び/又はレトロトランスポゾンが挿入された遺伝子、並びに遺伝子にトランスポゾンが挿入されたものの抜けた状態でフットプリントを残した遺伝子が明らかにされ、さらに、遺伝子にトランスポゾン及び/又はレ

50

トロトランスポゾン挿入することによって植物の様々な発現を人為的に制御できることが明らかにされたが、花色発現に関わる複対立遺伝子とトランスポゾン及び／又はレトロトランスポゾンとの関係については、記載はなかったし、また、これらのDNA断片の長さを電気泳動法によって分析し、その組み合わせにより、これらを区別して、遺伝子型を判定することは知られていたが、それらの遺伝子型を有する個体及び／又は系統がどのような花色／果色を有するか判定することができなかった。

【0024】

さらに、これに関連して、トランスポゾン及び／又はレトロトランスポゾンが挿入された遺伝子を保有する遺伝子型が花色に関する遺伝子型育種法で後代にどのように遺伝するか曖昧であり、実用化する場合問題がある。また、非特許文献12に記載されるHf1/hf1で表されたペチュニアの花色素の遺伝について、基本的にメンデルの遺伝の法則に従うはずであるが、hf1遺伝子型には2種類以上存在することの記載があることから、後代の分離に曖昧な点があるため実用化には至っていない。さらに、トランスポゾン及び／又はレトロトランスポゾンが挿入された遺伝子を保有する遺伝子型である個体がどのような花色を有するか、CIELab表色系(CIELab color coordinate system)などを用いて花色を正確に測色・数値化し、遺伝させることが十分ではなかったという問題点もある。

10

【0025】

もし花卉の花色発現に関係する複対立遺伝子の遺伝子型を構造的に解明し、これらの遺伝子型と花色との相関が明らかになれば、それらの遺伝子型を判定した上で遺伝する個体がどのような花色を当代及び／又は後代へ発現するか容易に予測することができ、そのような遺伝子型は、花色を予測又は検定するための遺伝子指標(マーカー)として利用できるかもしれない。これによって、複対立遺伝子型について開花を迎えずに早期に判定するだけで、遺伝する当代及び／又は後代の花色をCIELab表色系などの座標軸上の値として容易に予測することができ、開花を迎えずに早期に花色を正確に知ることができると考えられる。

20

【0026】

また、もし新規トランスポゾン及び／又はレトロトランスポゾンが挿入された遺伝子を保有する遺伝子型と、花色との関係が明確になれば、CIELab表色系などの座標軸上の値としてより正確に花色を育種する技術として使用できるかもしれない。

30

【0027】

本発明者らは、花色発現に関連する5つの複対立遺伝子型の遺伝子構造を明らかにし、それらの構造と当代及び／又は後代に遺伝される花色遺伝を明らかにし、また、CIELab表色系などを用いて花色を正確に測色・数値化した上で、その色素遺伝子型と花色遺伝との関係を明らかにし、花卉の新花色作出について実用的な花色改変法と、及び／又は、花卉の開花を迎えずに早期に遺伝子を検定した上で、複対立遺伝子型を帰属し、遺伝する花色を知ることができる実用的な花色予測法を提供することを目的とする。

【課題を解決するための手段】

【0028】

本発明者らは、上記の課題を解決するため、花色発現に関連する5つの複対立遺伝子型、すなわち H^T 、 H^F 、 H^D 、 H^Z 、 H^O のいずれか又はその組み合わせからなる遺伝子型を有する花卉品種を用いて、CIELab表色系(CIELab color coordinate system)による花色を測定・数値化し、また、それらの色素表現型を分析し、それらの遺伝子型を帰属した。さらに、帰属された5つの複対立遺伝子型、 H^T 、 H^F 、 H^D 、 H^Z 、 H^O のそれぞれについて、フラボノイド3',5'-ヒドロキシラーゼ($F_{3',5'}-H$)遺伝子の構造を明らかにし、その結果、5つの複対立遺伝子型 H^T 、 H^F 、 H^D 、 H^Z 、 H^O は3つのフラボノイド3',5'-ヒドロキシラーゼ($F_{3',5'}-H$)遺伝子群に分類できることを今回見出した。

40

【0029】

発明の概要

50

本発明は、要約すると、以下の特徴を有する。

(1) 図4に示す経路式のフラボノイド生合成の色素前駆物質のB環の水酸化に関わるフラボノイド3', 5'-水酸化酵素を含む花卉の酵素反応系の花粉親配偶子及び種子親配偶子由来の複対立遺伝子 H^T 、 H^F 、 H^Z 、 H^D 及び H^O の組み合わせを、該複対立遺伝子に対応するフラボノイド3', 5'-ヒドロキシラーゼ遺伝子に基づいて開花前の花卉組織から決定し、遺伝子型 $H^X H^X \cdot P g / p g \cdot C y / c y \cdot D p / d p$ について花粉親配偶子及び種子親配偶子間の複対立遺伝子の組み合わせと花色との相関に基づいて開花前の花卉の花色を予測する方法であって、ここで、複対立遺伝子 H^T が、該フラボノイド生合成の前駆物質でのB環の水酸化に関して3'位の水酸化を制御し、ペラルゴニジン(Pgn)とシアニジン(Cyn)の生合成に関与する遺伝子であり、複対立遺伝子 H^F が該フラボノイド生合成の前駆物質でのB環の水酸化に関して5'位の水酸化を制御し、ペラルゴニジン(Pgn)の生合成に関与する遺伝子であり、複対立遺伝子 H^D 又は H^Z が、該フラボノイド生合成の前駆物質でのB環の水酸化に関して3', 5'位の水酸化を制御し、デルフィニジン(Dpn)の生合成に関与する遺伝子であり、並びに、複対立遺伝子 H^O が該フラボノイド生合成の前駆物質でのB環の水酸化に関して3', 5'位の水酸化を制御し、デルフィニジン(Dpn)の生合成に関与する遺伝子である、前記方法。

10

【0030】

(2) 複対立遺伝子の組み合わせが、電気泳動により決定される、(1)に記載の方法。

【0031】

20

(3) 複対立遺伝子 H^T 又は H^F が、配列番号1の塩基配列、その相補的配列、又はそれらの配列と80%以上の同一性を有する若しくはそれらの配列とストリンジェントな条件下でハイブリダイズする塩基配列を含むDNAである、(1)又は(2)に記載の方法。

【0032】

(4) 複対立遺伝子 H^Z 又は H^D が、配列番号2の塩基配列、その相補的配列、又はそれらの配列と80%以上の同一性を有する若しくはそれらの配列とストリンジェントな条件下でハイブリダイズする塩基配列を含むDNAである、(1)又は(2)に記載の方法。

【0033】

30

(5) 複対立遺伝子 H^O が、配列番号3の塩基配列、その相補的配列、又はそれらの配列と80%以上の同一性を有する若しくはそれらの配列とストリンジェントな条件下でハイブリダイズする塩基配列を含むDNAである、(1)又は(2)に記載の方法。

【0034】

(6) 花卉が、双子葉植物又は单子葉植物から選択される、(1)~(5)のいずれかに記載の方法。

【0035】

(7) 花卉がトルコギキョウである、(6)に記載の方法。

【0036】

(8) 複対立遺伝子 H^T 又は H^F 由来の配列番号1の塩基配列、その相補的配列、又はそれらの配列と80%以上の同一性を有する若しくはそれらの配列とストリンジェントな条件下でハイブリダイズする塩基配列を含むDNA又はその15塩基以上の断片。

40

【0037】

(9) 複対立遺伝子 H^Z 又は H^D 由来の配列番号2の塩基配列又はそれらの配列と80%以上の同一性を有する若しくはそれらの配列とストリンジェントな条件下でハイブリダイズする塩基配列を含むDNAの第1エクソン配列中に、配列番号4のレトロトランスポゾンの塩基配列又はそれらの配列と60%以上の同一性を有する若しくはそれらの配列とストリンジェントな条件下でハイブリダイズする塩基配列が挿入されている、(8)に記載のDNA又はその15塩基以上の断片。

【0038】

50

(10) 配列番号4の塩基配列又はそれらの配列と60%以上の同一性を有する若しくはそれらの配列とストリンジェントな条件下でハイブリダイズする塩基配列を含むレトロトランスポゾン又はその15塩基以上の断片。

【0039】

(11) 複対立遺伝子 H^O 由来の配列番号3の塩基配列、その相補的配列、又はそれらの配列と80%以上の同一性を有する若しくはそれらの配列とストリンジェントな条件下でハイブリダイズする塩基配列を含むDNA又はその15塩基以上の断片。

【0040】

(12) 開花前の花卉の花色を予測するためのキットであって、下記の(a)~(c)のDNA又はその断片：

(a) 複対立遺伝子 H^T 又は H^F 由来の配列番号1の塩基配列、その相補的配列、又はそれらの配列と80%以上の同一性を有する若しくはそれらの配列とストリンジェントな条件下でハイブリダイズする塩基配列を含むDNA、或いは該DNAの15塩基以上の断片、

(b) 複対立遺伝子 H^Z 又は H^D 由来の配列番号2の塩基配列、その相補的配列、又はそれらの配列と80%以上の同一性を有する若しくはそれらの配列とストリンジェントな条件下でハイブリダイズする塩基配列を含むDNA、或いは該DNAの15塩基以上の断片、並びに、

(c) 複対立遺伝子 H^O 由来の配列番号3の塩基配列、その相補的配列、又はそれらの配列と80%以上の同一性を有する若しくはそれらの配列とストリンジェントな条件下でハイブリダイズする塩基配列を含むDNA、或いは該DNAの15塩基以上の断片、の少なくとも1つをプローブ又はプライマーとして含む、前記キット。

【0041】

(13) プローブが標識されている、(12)に記載のキット。

(14) 前記複対立遺伝子の組み合わせと花色との相関を示す早見表をさらに含む、(12)又は(13)に記載のキット。

【0042】

(15) 花卉の複対立遺伝子 H^Z 、 H^D 又はその両方のエクソン部分に、配列番号4の塩基配列又はそれらの配列と60%以上の同一性を有する若しくはそれらの配列とストリンジェントな条件下でハイブリダイズする塩基配列を含むレトロトランスポゾンを挿入することを含む、ただし複対立遺伝子 H^D 又は H^Z が、フラボノイド生合成の前駆物質でのB環の水酸化に関して3', 5'位の水酸化を制御し、デルフィニジン(Dpn)の生合成に關与する遺伝子である、花卉の花色を改変する方法。

【0043】

(16) エクソンが第1エクソンである、(15)に記載の方法。

(17) 花色の改変が、複対立遺伝子 H^D 又は H^Z の機能を失い、新たに複対立遺伝子 H^T 又は H^F の機能を獲得することによって生じる、ただし複対立遺伝子 H^T が、フラボノイド生合成の前駆物質でのB環の水酸化に関して3'位の水酸化を制御し、ペラルゴニジン(Pgn)とシアニジン(Cyn)の生合成に關与する遺伝子であり、複対立遺伝子 H^F がフラボノイド生合成の前駆物質でのB環の水酸化に関して、ペラルゴニジン(Pgn)の生合成に關与する遺伝子である、(15)又は(16)に記載の方法。

【0044】

(18) 花卉が、双子葉植物又は単子葉植物から選択される、(15)~(17)のいずれかに記載の方法。

【0045】

(19) 図4に示す経路式のフラボノイド生合成の色素前駆物質のB環の水酸化に関わるフラボノイド3', 5'-水酸化酵素を含む花卉の酵素反応系の花粉親配偶子及び種子親配偶子由来の複対立遺伝子 H^T 、 H^F 、 H^Z 、 H^D 及び H^O の組み合わせと花色との相関を示す早見表であって、ここで、複対立遺伝子 H^T が、該フラボノイド生合成の前駆物質でのB環の水酸化に関して3'位の水酸化を制御し、ペラルゴニジン(Pgn)とシアニ

10

20

30

40

50

ジン (Cyn) の生合成に關与する遺伝子であり、複対立遺伝子 H^F が該フラボノイド生合成の前駆物質での B 環の水酸化に關して 5' 位の水酸化を制御し、ペラルゴニン (Pgn) の生合成に關与する遺伝子であり、複対立遺伝子 H^D 又は H^Z が、該フラボノイド生合成の前駆物質での B 環の水酸化に關して 3', 5' 位の水酸化を制御し、デルフィニン (Dpn) の生合成に關与する遺伝子であり、並びに、複対立遺伝子 H^O が該フラボノイド生合成の前駆物質での B 環の水酸化に關して 3', 5' 位の水酸化を制御し、デルフィニン (Dpn) の生合成に關与する遺伝子である、前記早見表。

【 0 0 4 6 】

(2 0) 下記のいずれかである、(1 9) に記載の早見表。

10

PgPgCyCyDpDp または PpggCyCyDpDp の遺伝子座の場合					
♂	H^O	H^D	H^Z	H^T	H^F
H^O	$H^O H^O$ PgnCynDpn 赤紫色 Ef1Ef1	$H^O H^D$ PgnCynDpn 紫赤色 Ef1Ef2	$H^O H^Z$ PgnCynDpn 紫赤色 Ef1Ef2	$H^O H^T$ PgnCynDpn 赤紫色 Ef1Ef3	$H^O H^F$ PgnCynDpn 赤紫色 Ef1Ef3
H^D	$H^D H^O$ PgnCynDpn 紫赤色 Ef2Ef1	$H^D H^D$ Dpn 紫色 Ef2Ef2	$H^D H^Z$ Dpn 紫色 Ef2Ef2	$H^D H^T$ PgnCynDpn 紫赤色 Ef2Ef3	$H^D H^F$ Dpn 紫色 Ef2Ef3
H^Z	$H^Z H^O$ PgnCynDpn 紫赤色 Ef2Ef1	$H^Z H^D$ Dpn 紫色 Ef2Ef2	$H^Z H^Z$ Dpn 紫色 Ef2Ef2	$H^Z H^T$ PgnCynDpn 紫色 Ef2Ef3	$H^Z H^F$ CynDpn 紫色 Ef2Ef3
H^T	$H^T H^O$ PgnCynDpn 赤紫色 Ef3Ef1	$H^T H^D$ PgnCynDpn 紫赤色 Ef3Ef2	$H^T H^Z$ PgnCynDpn 紫色 Ef3Ef2	$H^T H^T$ PgnCyn 赤色 Ef3Ef3	$H^T H^F$ PgnCynDpn 赤紫色 Ef3Ef3
H^F	$H^F H^O$ PgnCynDpn 赤紫色 Ef3Ef1	$H^F H^D$ Dpn 紫色 Ef3Ef2	$H^F H^Z$ CynDpn 紫色 Ef3Ef2	$H^F H^T$ PgnCynDpn 赤紫色 Ef3Ef3	$H^F H^F$ Pgn 赤色 Ef3Ef3

20

30

【 0 0 4 7 】

PpPgCyCyDpDp の遺伝子座の場合						
	♂	HO	HD	HZ	HT	HF
♀	HO	HOHO CynDpn 赤紫色 Ef1Ef1	HOHD CynDpn 紫赤色 Ef1Ef2	HOHZ CynDpn 紫赤色 Ef1Ef2	HOHT CynDpn 赤紫色 Ef1Ef3	HOHF CynDpn 赤紫色 Ef1Ef3
HD	HDHO CynDpn 紫赤色 Ef2Ef1	HDHD Dpn 紫色 Ef2Ef2	HDHZ Dpn 紫色 Ef2Ef2	HDHT CynDpn 紫赤色 Ef2Ef3	HDHF Dpn 紫色 Ef2Ef3	
HZ	HZHO CynDpn 紫赤色 Ef2Ef1	HZHD Dpn 紫色 Ef2Ef2	HZHZ Dpn 紫色 Ef2Ef2	HZHT CynDpn 紫赤色 Ef2Ef3	HZHF CynDpn 紫色 Ef2Ef3	
HT	HTHO CynDpn 赤紫色 Ef3Ef1	HTHD CynDpn 紫赤色 Ef3Ef2	HTHZ CynDpn 紫赤色 Ef3Ef2	HTHT Cyn 赤色 Ef3Ef3	HTHF CynDpn 赤紫色 Ef3Ef3	
HF	HFHO CynDpn 赤紫色 Ef3Ef1	HFHD Dpn 紫色 Ef3Ef2	HFHZ CynDpn 紫色 Ef3Ef2	HFHT CynDpn 赤紫色 Ef3Ef3	HFHF none 白色 Ef3Ef3	

10

20

30

40

50

【0048】

定義

本明細書中で使用される用語は、以下の定義を有する。

【0049】

「複対立遺伝子に対応するフラボノイド3'、5'-ヒドロキシラーゼ遺伝子」とは、花卉のフラボノイド3'、5'水酸化に関与し、複対立遺伝子遺伝子座に存在する複数の遺伝的な因子の一部を構成する要素を意味する。

【0050】

「花卉」とは、フラボノイドを含む花を有する被子植物、特に双子葉植物及び単子葉植物、をいう。

【0051】

「花色遺伝型交配法」とは、フラボノイドのアントシアニン色素、すなわちペラルゴニン(Pgn)、シアニン(Cyn)及びデルフィニン(Dpn)、に関する遺伝型育種法において、フラボノイド生合成における前駆物質のB環の水酸化に関わる5つの複対立遺伝子を任意に組み合わせることによって自由に花色を作製するための方法をいう。

【0052】

「花粉親配偶子」とは、雄性配偶子をいう。一方、「種子親配偶子」とは、雌性配偶子をいう。

【0053】

「%同一性」とは、対象の複対立遺伝子のDNA配列との配列比較(alignment)を、ギャップを導入して又はギャップを導入しないで、対象のDNA配列の全塩

基数に対する同一塩基数の百分率(%)をいう。配列比較は、通常、BLAST、FASTAなどのアルゴリズムを利用することができる(例えば、S. F. Altschulら, J. Mol. Biol. 215:403-410(1990); W. R. Pearson D. S. Lipman, Proc. Natl. Acad. Sci. USA 85:2444-2448(1988))。

【0054】

「ストリンジェントな条件」とは、対象の複対立遺伝子のDNA配列に対してハイブリダイズすることができる条件であって、例えば30~50℃で、3~5×SSC、0.1~1%SDS中で1~15時間のハイブリダイゼーション、その後の、例えば0.1~2×SSC、0.1~1%SDS中、室温~70℃での洗浄からなる条件をいう。このような条件下で対象の複対立遺伝子のDNA配列にハイブリダイズすることができるDNAは、例えば該複対立遺伝子の変異体又はホモログである。ここで、ホモログは、対象植物とは異なる植物又は植物品種の同族の複対立遺伝子を指す。

10

【発明の効果】

【0055】

本発明により、花色発現に関連する5つの複対立遺伝子の構造が解明された結果、それらの遺伝子型を判定した上で遺伝する個体がどのような花色を当代及び/又は後代へ発現するか容易に予測することができるし、また、開花を迎えずに早期に花色を予測することができる。これによって、花粉親配偶子及び種子親配偶子間の複対立遺伝子の組み合わせと花色との関係を示す早見表の作成が可能となり、これは花色の予測のために便利に利用できる。

20

【0056】

さらにまた、本発明により、新規レトロトランスポゾンが見出され、これが挿入された遺伝子を保有する遺伝子型が解明された結果、5つの複対立遺伝子と花色との関係が明確となり、複対立遺伝子へのレトロトランスポゾン挿入を介して花色の改変、特に赤色への改変が可能となった。

【図面の簡単な説明】

【0057】

【図1】各複対立遺伝子 H^T 、 H^F 、 H^Z 、 H^D 、 H^O のF3'、5'-H DNAバンドの特徴を示す電気泳動図を示す。

30

【図2】複対立遺伝子 H^T 、 H^F 、 H^Z 、 H^D 、 H^O より得られたF3'、5'-H DNA遺伝子の構造を模式化した図を示す。

【図3】ヘテロ型の複対立遺伝子の組み合わせ、 H^T と H^D 、及び、 H^T と H^O のF3'、5'-H DNAバンドを示す電気泳動図を示す。

【図4】花卉のフラボノイド生合成の経路図を示す。

【発明を実施するための形態】

【0058】

複対立遺伝子

特許文献8に一部記載されるように、本発明者らは、花色遺伝型が、図4に示す経路式(I)のフラボノイド生合成に関係することを見出した。

40

図4中、 H^T 、 H^F 、 H^Z 、 H^D 及び H^O は、フラボノイド生合成の前駆物質でのB環の水酸化に関与する複対立遺伝子を表わし、ここで、複対立遺伝子 H^T が、該前駆物質でのB環の水酸化に関して3'位の水酸化を制御し、ペラルゴニジン(Pgn)とシアニジン(Cyn)の生合成に関与する遺伝子であり、複対立遺伝子 H^F が該前駆物質でのB環の水酸化に関して5'位の水酸化を制御し、ペラルゴニジン(Pgn)の生合成に関与する遺伝子であり、複対立遺伝子 H^D 又は H^Z が、該前駆物質でのB環の水酸化に関して3',5'位の水酸化を制御し、デルフィニジン(Dpn)の生合成に関与する遺伝子であり、並びに、複対立遺伝子 H^O が該前駆物質でのB環の水酸化に関して3',5'位の水酸化を制御し、デルフィニジン(Dpn)の生合成に関与する遺伝子である。

【0059】

50

さらにまた、図4中、花卉の花色発現に関わる主要アントシアニン色素のペラルゴニン(Pgn)、シアニン(Cyn)、デルフィニン(Dpn)の遺伝について、Pgn、Cyn、Dpn色素の遺伝子座をそれぞれPg/pg、Cy/cy、Dp/dpとして示した。Pgn、Cyn、Dpnの生合成に關与するジヒドロフラボノールリダクターゼ(DFR)およびアントシアニンシンターゼ(AS)の酵素系の遺伝が、それぞれPg/pg、Cy/cy、Dp/dpの遺伝子によって制御されている(特許文献8)。

【0060】

本発明によれば、上記5つの複対立遺伝子 H^T 、 H^F 、 H^Z 、 H^D 及び H^O は、該複対立遺伝子によって制御される3つのフラボノイド3'、5'-ヒドロキシラーゼ($F3'$ 、 $5'-H$)遺伝子群に基づいて、 H^T と H^F 、 H^Z と H^D 及び H^O に分類できる。

10

【0061】

フラボノイド色素前駆体のB環の水酸化に關与するフラボノイド3'-ヒドロキシラーゼ($F3'H$)とフラボノイド3'、5'-ヒドロキシラーゼ($F3'$ 、 $5'H$)の酵素反応系の遺伝子型を、上記のとおり、 H^T 、 H^F 、 H^D 、 H^Z 、 H^O の5つの複対立遺伝子で示し、Pg/pgの記号のうち2つを選択し(すなわち、PgPg、Pgpg、pgpgの組合せ記号のうち1つを選択し)、Cy/cyの記号のうち2つを選択し(すなわち、Cycy、Cycy、cycyの組合せ記号のうち1つを選択し)、Dp/dpの記号のうち2つを選択し(すなわち、DpDp、Dpdp、dpdpの組合せ記号のうち1つを選択し)、また、 H^T 、 H^F 、 H^D 、 H^Z 、 H^O の記号のうち2つを選択し(すなわち、 $H^T H^T$ 、 $H^T H^F$ 、 $H^T H^D$ 、 $H^T H^Z$ 、 $H^T H^O$ 、 $H^F H^F$ 、 $H^D H^F$ 、 $H^Z H^F$ 、 $H^O H^F$ 、 $H^D H^D$ 、 $H^D H^Z$ 、 $H^D H^O$ 、 $H^Z H^O$ 、 $H^O H^O$ の組合せ記号のうち1つを選択し)、花色を決める遺伝子型(色素遺伝子型)をD/d・E/e・ $H^X H^X$ ・Pg/pg・Cy/cy・Dp/dpとして表わすことができる。

20

【0062】

本発明の3種の遺伝子は、花卉の組織、例えば根、葉、茎、種子などの植物体のあらゆる部分からDNAを抽出し、プライマーを使用するポリメラーゼ連鎖反応(PCR)を行い、増幅産物を単離し、その後、配列決定によって得ることができる。すなわち、3種の遺伝子の翻訳領域を夾み、互いに向かい合う15~30bpのオリゴヌクレオチドをプライマーとし、花卉の組織より抽出したDNAを鋳型としてPCRを行う。このPCRによって、プライマーにはさまれる領域のDNA断片が増幅される。

30

【0063】

このようにして、複対立遺伝子 H^D と H^Z が3115bpの塩基配列(配列番号2)を含むこと、複対立遺伝子 H^O が2498bpの塩基配列(配列番号3)を含むこと、複対立遺伝子 H^T 又は H^F が8525bpの塩基配列(配列番号1)を含み、この配列中に配列番号4の塩基配列を含むレトロトランスポゾン様因子rTeg1(retrotransposon *Eustoma grandiflorum* 1)が含まれることが判明した(図2参照)。

【0064】

具体的には、複対立遺伝子型 H^D 又は H^Z のフラボノイド3'、5'-ヒドロキシラーゼ($F3'$ 、 $5'-H$)遺伝子の構造は、配列番号2に示す3115bpの塩基配列であり、986bpと1000bpからなる2つのエクソンの間に、1129bpのイントロンを保有した構造である。

40

【0065】

また、複対立遺伝子型 H^O の $F3'$ 、 $5'-H$ 遺伝子の構造は、配列番号3に示す2498bpの塩基配列であり、986bpと1000bpからなる2つのエクソンの間に、512bpのイントロンを保有した構造である。

【0066】

さらにまた、複対立遺伝子型 H^T 又は H^F の $F3'$ 、 $5'-H$ 遺伝子の構造は、配列番号1に示す8525bpの塩基配列であり、991bpと1000bpからなる2つのエクソンの間に1129bpのイントロンを保有し、さらに991bpの第1エクソンの4

50

91bpと500bpとの間に5405bpのレトロトランスポゾンが挿入された構造である。

【0067】

花色の予測法

本発明によれば、開花前の花卉の花色を予測する方法が提供される。この方法は、花粉親及び種子親配偶子間の上記複対立遺伝子 H^T 、 H^F 、 H^Z 、 H^D 及び H^O の組み合わせを、該複対立遺伝子のフラボノイド3'、5'-ヒドロキシラーゼ遺伝子に基づいて開花前の花卉組織から決定し、遺伝子型 $H^X H^X \cdot Pg/pg \cdot Cy/cy \cdot Dp/dp$ について花粉親及び種子親配偶子間の複対立遺伝子の組み合わせと花色との相関に基づいて、開花前の花卉の花色を予測することを含む。

10

【0068】

本発明において、花卉とは、フラボノイド(flavonoids)を含む花、果実、種子、葉、すなわち、フラボノイドを含む花卉、萼片、苞、花被、果皮、種皮、葉柄などを有する顕花植物門(Anthophyta)の被子植物門(Angiospermae)であり、被子植物門には双子葉植物綱(Dicotyledoneae)及び単子葉植物綱(Monocotyledoneae)が含まれる。

【0069】

双子葉植物綱の合弁花亜綱(Sympetalaе)の花卉として、限定されるものではないが、例えば、キキョウ目(Campanulatae)(キク科(Compositae)、ステイリディウム科(Stylidiaceae)、クサトベラ科(Goodeniaceae)、キキョウ科(Campanulaceae)、ウリ目(Cucurbitales)(ウリ科(Cucurbitaceae)、アカネ目(Rubiales)(マツムシソウ科(Dipsacaceae)、オミナエシ科(Valerianaceae)、スイカズラ科(Caprifoliaceae)、アカネ科(Rubiaceae)、シソ目(Tubiflorae)(キツネノマゴ科(Acanthaceae)、タヌキモ科(Lentibulariaceae)、イワタバコ科(Gesneriaceae)、ツノゴマ科(Martyniaceae)、ゴマ科(Pedaliaceae)、ノウゼンカズラ科(Bignoniaceae)、ゴマノハグサ科(Scrophulariaceae)、ナス科(Solanaceae)、シソ科(Labiatae)、クマツツラ科(Verbenaceae)、ムラサキ科(Boraginaceae)、ハゼリソウ科(Hydrophyllaceae)、ハナシノブ科(Polemoniaceae)、ヒルガオ科(Convulvaceae)、モクセイ目(Contortae)(ガガイモ科(Asclepiadaceae)、キョウチクトウ科(Apocynaceae)、リンドウ科(Gentianaceae)、フジウツギ科(Loganiaceae)、モクセイ科(Oleaceae)、イソマツ目(Plumbaginales)(イソマツ科(Plumbaginaceae)、サクラソウ目(Primulales)(サクラソウ科(Primulaceae)、ヤブコウジ科(Myrsinaceae)、ツツジ目(Ericales)(ツツジ科(Ericaceae)、イチヤクソウ科(Pyrolaceae)、イワウメ目(Diapensiales)(イワウメ科(Diapensiaceae))が挙げられる。

20

30

40

【0070】

双子葉植物綱の離弁花亜綱(Archichlamydeae)の花卉として、例えば、限定されるものではないが、テンニンカ目(Myrtiflorae)(アカバナ科(Onagraceae)、ノボタン科(Melastomataceae)、フトモモ科(Myrtaceae)、シクンシ科(Combretaceae)、ザクロ科(Punicaceae)、ミソハギ科(Lythraceae)、グミ科(Elaeagnaceae)、ジンチョウゲ科(Thymelaeaceae)、ツバキ目(Parietales)(シュウカイドウ科(Begoniaceae)、トケイソウ科(Passifloraceae)、ハンニチバナ科(Cistaceae)、スミレ科(Violaceae)、ツバキ科(Camelliaceae)、アオイ目(Malvales)(

50

アオイ科 (Malvaceae)、ホルトノキ科 (Elaeocarpaceae)、クrouメモドキ目 (Rhamnales) (ブドウ科 (Vitaceae)、クrouメモドキ科 (Rhamnaceae)、ムクロジ目 (Sapindales) (ツリフネソウ科 (Balsaminaceae)、トチノキ科 (Hippocastanaceae)、カエデ科 (Aceraceae)、ニシキギ科 (Celastraceae)、モチノキ科 (Aquifoliaceae)、ウルシ科 (Anacardiaceae)、フウロソウ目 (Geraniales) (トウダイグサ科 (Euphorbiaceae)、ヒメハギ科 (Polygalaceae)、ミカン科 (Rutaceae)、アマ科 (Linaceae)、フウロソウ科 (Geraniaceae)、カタバミ科 (Oxalidaceae)、バラ目 (Rosales) (マメ科 (Leguminosae)、バラ科 (Rosaceae)、マンサク科 (Hamamelidaceae)、トベラ科 (Pittosporaceae)、ユキノシタ科 (Saxifragaceae)、ベンケイソウ科 (Crassulaceae)、サラセニア目 (Sarraceniales) (サラセニア科 (Sarraceniaceae)、ウツボカズラ科 (Nepenthaceae)、モウセンゴケ科 (Droseraceae)、ケシ目 (Papaverales) (アブラナ科 (Brassicaceae)、フウチョウソウ科 (Capparidaceae)、ケシ科 (Papaveraceae)、キンボウゲ目 (Ranunculales) (クスノキ科 (Lauraceae)、メギ科 (Berberidaceae)、キンボウゲ科 (Ranunculaceae)、アケビ科 (Lardizabalaceae)、スイレン科 (Nymphaeaceae)、バンレイシ科 (Annonaceae)、モクレン科 (Magnoliaceae)、アカザ目 (Centrospermae) (ナデシコ科 (Caryophyllaceae)、オシロイバナ科 (Nyctaginaceae)、タデ目 (Polygonales) (タデ科 (Polygonaceae)、イラクサ目 (Urticales) (クワ科 (Moraceae)、ヤマモモ目 (Myricales) (ヤマモモ科 (Myricaceae)) が挙げられる。

10

20

【0071】

単子葉植物網の花弁として、限定されるものではないが、例えば、ラン目 (Orchidales) (ラン科 (Orchidaceae)、ショウガ目 (Scitaminea) (カンナ科 (Cannaceae)、ショウガ科 (Zingiberaceae)、バショウ科 (Musaceae)、ユリ目 (Liliiflorae) (アヤメ科 (Iridaceae)、ヒガンバナ科 (Amaryllidaceae)、ユリ科 (Liliaceae)、ツククサ目 (Commelinales) (ミズアオイ科 (Pontederiaceae)、ツククサ科 (Commelinaceae)、パイナップル科 (Bromeliaceae)、サトイモ目 (Arcales) (サトイモ科 (Araceae)) が挙げられる。

30

【0072】

本発明において、上記5つの複対立遺伝子型の組み合わせは、3種類のフラボノイド3'、5'-ヒドロキシラーゼ遺伝子に基づいて開花前の花弁組織から決定される。

【0073】

上記3種類のフラボノイド3'、5'-ヒドロキシラーゼ遺伝子を得るために、レトロトランスポゾン様因子 rTeg1 の挿入部位を挟み込む、5'→3' 向きの塩基配列に対応した第1のプライマーと、3'→5' 向きの塩基配列に対応した第2のプライマーを用いてPCRを行うことができる。そのためのプライマーは、例えば以下のものである。

40

第1のプライマー：

5' - CTCAGACCTCTGTTACCTCAGTCAG - 3' (配列番号5)

第2のプライマー：

3' - AGAAACTGA ACTCTCATCC - 5' (配列番号6)

【0074】

増幅されたDNAは、電気泳動で分離することができ、電気泳動ゲル上のバンドとして

50

検出される。ゲル上のバンドは、ゲルから単離可能で、単離されたDNA断片はサイクルシーケンシング法によるプライマーウォーキングなど、通常行われている塩基配列決定の方法に従って、全塩基配列を決定できる。DNA断片の塩基配列が決定されたとき、その断片にトランスポゾン様DNAが挿入されていれば、そのトランスポゾンの配列と挿入位置も決定される。

【0075】

例えば、トルコギキョウの品種あすかの紅から抽出したDNAを鋳型として用い、上記に示されたオリゴヌクレオチドをプライマーとして用い、PCRを行って、PCR産物をアガロースゲルによる電気泳動を行った場合には、約8kbpのDNA断片が得られる。このDNA断片をアガロースゲルから抽出して、サイクルシーケンシング法によるプライマーウォーキングによって全塩基配列を決定すると、配列番号1に示す8525bpの塩基配列からなるトランスポゾン様DNAが含まれることが判明した。

10

【0076】

例えばトルコギキョウの品種ロイヤルバイオレットから抽出したDNAを用い、上記に示されたオリゴヌクレオチドをプライマーとして用い、PCRを行って、PCR産物をアガロースゲルによる電気泳動を行った場合には約2.5kbpのDNA断片が得られる。このDNA断片をアガロースゲルから抽出して、サイクルシーケンシング法によるプライマーウォーキングによって全塩基配列を決定すると、配列番号3に示す2498bpの塩基配列からなるDNAが含まれることが判明した。

20

【0077】

例えば、トルコギキョウの品種メロウラベンダーから抽出した抽出したDNAを用い、上記に示されたオリゴヌクレオチドをプライマーとして用い、PCRを行って、PCR産物をアガロースゲルによる電気泳動を行った場合には約3kbpのDNA断片が得られる。このDNA断片をアガロースゲルから抽出して、サイクルシーケンシング法によるプライマーウォーキングによって全塩基配列を決定すると、配列番号2に示す3115bpの塩基配列からなるDNAが含まれることが判明した。

【0078】

したがって、本発明によれば、上記複対立遺伝子型を決める3種類のフラボノイド3'、5'-ヒドロキシラーゼ遺伝子は、以下のものである。

30

【0079】

(1) 複対立遺伝子型H^Tを表わす、該フラボノイド生合成の前駆物質でのB環の水酸化に関して3'位の水酸化を制御しペラルゴニジン(Pgn)とシアニジン(Cyn)の生合成に関与するDNAであって、配列番号1の塩基配列、その相補的配列、又はそれらの配列と80%以上の同一性を有する若しくはそれらの配列とストリンジেন্টな条件下でハイブリダイズする塩基配列を含むDNA、或いは、

複対立遺伝子型H^Fを表わす、該フラボノイド生合成の前駆物質でのB環の水酸化に関して5'位の水酸化を制御し、ペラルゴニジン(Pgn)の生合成に関与するDNAであって、配列番号1の塩基配列、その相補的配列、又はそれらの配列と80%以上の同一性を有する若しくはそれらの配列とストリンジেন্টな条件下でハイブリダイズする塩基配列を含むDNA。

40

【0080】

(2) 複対立遺伝子H^D又はH^Zを表わす、該フラボノイド生合成の前駆物質でのB環の水酸化に関して3'、5'位の水酸化を制御し、デルフィニジン(Dpn)の生合成に関与するDNAであって、配列番号2の塩基配列、その相補的配列、又はそれらの配列と80%以上の同一性を有する若しくはそれらの配列とストリンジেন্টな条件下でハイブリダイズする塩基配列を含むDNA。

【0081】

(3) 複対立遺伝子型H^Oを表わす、該フラボノイド生合成の前駆物質でのB環の水酸化に関して3'、5'位の水酸化を制御し、デルフィニジン(Dpn)の生合成に関与するDNAであって、配列番号3の塩基配列、その相補的配列、又はそれらの配列と80%以

50

上の同一性を有する若しくはそれらの配列とストリンジェントな条件下でハイブリダイズする塩基配列を含むDNA。

【0082】

上記(1)～(3)のDNAにおいて、該DNAには、上記のフラボノイド生合成に関与する活性を有するという条件で、配列番号1、配列番号2又は配列番号3の塩基配列或いはその相補的配列と通常60%以上、好ましくは70%以上、75%以上、より好ましくは80%以上、85%以上、さらに好ましくは90%以上、95%以上又は98%以上の同一性を有するDNAも包含される。

【0083】

また、そのようなDNAには、配列番号1、配列番号2又は配列番号3の塩基配列或いはその相補的配列とストリンジェントな条件下でハイブリダイズする塩基配列を含むDNAも包含される。ストリンジェントな条件は、上記定義のとおりであり、すなわち、以下のものに特に限定されないが、例えば30～50 で、3～5×SSC、0.1～1% SDS中で1～15時間のハイブリダイゼーション、その後の、例えば0.1～2×SSC、0.1～1% SDS中、室温～70 での洗浄からなる条件をいう。ここで、1×SSCとは、150mM塩化ナトリウム及び15mMクエン酸ナトリウムを含む水溶液(pH7.2)である。ストリンジェントな条件の他の例は、例えばSambrookら、Molecular Cloning, A Laboratory Manual, Cold Spring Harbor Laboratory Press, 1989に記載されており、その開示を本発明でも利用しうるものとする。

10

20

【0084】

上記の80%以上の同一性を有するDNA、或いは、ストリンジェントな条件下でハイブリダイズするDNAは、配列番号1、配列番号2又は配列番号3の塩基配列或いはその相補的配列の突然変異体、それとは異なる植物又は植物品種のホモログなどを含む。

【0085】

本発明の方法では、開花前の花卉の組織、例えば葉、根、茎などの任意の部位からDNAを抽出し、必要であればPCR法により該DNAを増幅し、DNAをサイズ分離する。DNAのサイズは、例えばトルコギキョウの場合8525bp(配列番号1)、3115bp(配列番号2)、2498bp(配列番号3)であり、これらは、後述の実施例6又は図3ではそれぞれEf3、Ef2、Ef1と称される。これらの特定のDNAサイズは、あくまでも例示であり、もし植物の種類が異なれば、それらのサイズも相違するかもしれないが、本発明では、配列番号1、配列番号2又は配列番号3の塩基配列或いはその相補的配列と一次構造及び活性の点で類似する限り、いかなるDNAサイズも許容しうる。

30

【0086】

DNAの抽出は、花卉の組織を微塵切りにし、これを適当なバッファー中でホジナイズしたのち、フェノール法などの公知のDNA抽出法にて、全DNAを抽出する。このためには、市販のDNA抽出キットを使用してもよく、そのようなキットの例は、Plant Genomics DNA Miniキット(バイオジーン社)などである。

【0087】

全DNAから対象のDNAをサイズ分離するために、例えば電気泳動、サザンハイブリダイゼーションなどを利用することができる。電気泳動の場合、ゲルは、通常、アガロースゲルが好ましい。

40

【0088】

対象DNAを電気泳動で検出する場合、対象DNAを予めPCR法で増幅することが好ましい。PCRのためのプライマーは、配列番号1、2及び3の5'末端側配列及び3'末端側配列はいずれも同じ配列を有するため、同一の正方向プライマーと逆方向プライマーを設計、作製し、使用することができる。植物種によっては、配列番号1、2及び3の塩基配列から設計されたプライマー配列が、例えば5'末端又は3'末端の配列の相違のために、使用できない場合もあるかもしれないが、そのような場合には、植物種の組織からDNAを抽出し、配列番号1、2及び3の塩基配列との同一性を考慮して作製したラン

50

ダムなプライマーを用いてPCR増幅し、増幅されたDNAについて塩基配列を決定することを通して、適切なプライマー配列を決めることができる。或いは、GenBankなどの配列データベースを介して、対象DNA配列に関して種々の植物種の関連配列を検索し、得られた配列に基づいてプライマー配列を決めることができる。プライマーのサイズは、例えば15～50塩基、好ましくは17～25塩基である。

【0089】

PCR条件は、目的の対象DNAが増幅可能な限り限定されないが、例えば94～95で10秒～1分間の変性、50～65で10秒～1分間のアニーリング、72で30秒～10分の伸長反応を1サイクルとし、20～50サイクル反応を行うことを含む。PCRに際しては、耐熱性逆転写酵素（例えばTaqポリメラーゼなど）、dNTP（ここで、NはA、T、G及びCである）、 Mg^{2+} を含有するバッファーなどが用いられる。

10

【0090】

対象DNAをサザンハイブリダイゼーションで検出する場合、植物の組織から抽出された全DNAを、上記のように電気泳動にかけてサイズ分離したのち、アルカリ処理し、ナイロンなどのメンブランに転写し、標識プローブを用いて対象DNAを検出する。プローブは、下記の(1)～(3)のDNA又はその断片の少なくとも1つである。

【0091】

(1) 複対立遺伝子 H^T 又は H^F 由来の配列番号1の塩基配列、その相補的配列、又はそれらの配列と80%以上の同一性を有する若しくはそれらの配列とストリンジェントな条件下でハイブリダイズする塩基配列を含むDNA、或いは該DNAの15塩基以上の断片。

20

【0092】

(2) 複対立遺伝子 H^Z 又は H^D 由来の配列番号2の塩基配列、その相補的配列、又はそれらの配列と80%以上の同一性を有する若しくはそれらの配列とストリンジェントな条件下でハイブリダイズする塩基配列を含むDNA、或いは該DNAの15塩基以上の断片。

【0093】

(3) 複対立遺伝子 H^O 由来の配列番号3の塩基配列、その相補的配列、又はそれらの配列と80%以上の同一性を有する若しくはそれらの配列とストリンジェントな条件下でハイブリダイズする塩基配列を含むDNA、或いは該DNAの15塩基以上の断片。

30

【0094】

プローブのサイズは、15塩基以上であり、例えば20～200塩基、25～100塩基、50～80塩基などである。また、プローブの標識は、例えば蛍光ラベル化剤、放射性同位元素によって行われる。

【0095】

本発明においては、上記の手法によって、該アントシアニン類のフラボノイド生合成の前駆化合物のB環の水酸化に関与する5つの複対立遺伝子型のフラボノイド3'、5'-ヒドロキシラーゼ遺伝子を知ることが可能である。

【0096】

複対立遺伝子型が $H^T H^T$ の場合、B環の水酸基が1個と2個を有する4種の前駆物質（ナリンゲニン(naringenin)、エリオディクチオール(eriodyctyol)、ジヒドロケンフェロール(dihydrokaempferol)、ジヒドロクエルセチン(dihydroquercetin))を生成し、 $H^F H^F$ の場合、B環の水酸基を1個有する2種の前駆物質（ナリンゲニン(naringenin)、ジヒドロケンフェロール(dihydrokaempferol))を生成し、 $H^T H^F$ の場合、B環(B-ring)の水酸基が1～3個有する6種の前駆物質（ナリンゲニン(naringenin)、エリオディクチオール(eriodyctyol)、ペンタヒドロキシフラバノン(pentahydroxyflavanone)、ジヒドロケンフェロール(dihydrokaempferol)、ジヒドロクエルセチン(dihydroq

40

50

uercetin)、ジヒドロミリセチン(dihydromyricetin))を生成するが、これらのフラボノイド3',5'-水酸化酵素(F3',5'-H)遺伝子として、配列番号1に示す8525bpの塩基配列の遺伝子が検出される。

【0097】

複対立遺伝子型がH^DH^Dの場合、B環の水酸基を3個有する2種の前駆物質(ペンタヒドロキシフラバノン(pentahydroxyflavanone)、ジヒドロミリセチン(dihydromyricetin))を生成し、H^DH^Z、H^ZH^Zの場合、B環の水酸基が3個有する2種の前駆物質(ペンタヒドロキシフラバノン(pentahydroxyflavanone)、ジヒドロミリセチン(dihydromyricetin))を生成するが、これらのフラボノイド3',5'-水酸化酵素(F3',5'-H)遺伝子として、配列番号2に示す3115bpの塩基配列の遺伝子が検出される。

10

【0098】

複対立遺伝子型がH^OH^Oの場合、B環(B-ring)の水酸基が1~3個有する6種の前駆物質(ナリングenin(naringenin)、エリオディクテオール(eriodyctyol)、ペンタヒドロキシフラバノン(pentahydroxyflavanone)、ジヒドロケンフェロール(dihydrokaempferol)、ジヒドロクエルセチン(dihydroquercetin)、ジヒドロミリセチン(dihydromyricetin))を生成するが、このフラボノイド3',5'-水酸化酵素(F3',5'-H)遺伝子として、配列番号3に示す2498bpの塩基配列の遺伝子が検出される。

20

【0099】

すなわち、配列番号1に示す8525bpの塩基配列の遺伝子は、H^Tの対立遺伝子(allele)の制御に関係し、従って、ナリングenin(naringenin)からエリオディクテオール(eriodyctyol)並びにジヒドロケンフェロール(dihydrokaempferol)からジヒドロクエルセチン(dihydroquercetin)への生化学的変換(biosynthetic transformation)の制御に関係する。また、8525bpの塩基配列の遺伝子は、H^Fの対立遺伝子の制御にも関係し、従って、エリオディクテオール(eriodyctyol)からペンタヒドロキシフラバノン(pentahydroxyflavanone)並びにジヒドロクエルセチン(dihydroquercetin)からジヒドロミリセチン(dihydromyricetin)への生化学的変換の制御に関係する。

30

【0100】

また、配列番号2に示す3115bpの塩基配列の遺伝子は、H^D及び/又はH^Zの対立遺伝子の制御に関係し、従って、ナリングenin(naringenin)からペンタヒドロキシフラバノン(pentahydroxyflavanone)並びにジヒドロケンフェロール(dihydrokaempferol)からジヒドロミリセチン(dihydromyricetin)への生化学的変換の制御に関係する。

【0101】

さらにまた、配列番号3に示す2498bpの塩基配列の遺伝子は、H^Oの対立遺伝子の制御に関係し、従って、ナリングenin(naringenin)からエリオディクテオール(eriodyctyol)とペンタヒドロキシフラバノン(pentahydroxyflavanone)並びにジヒドロケンフェロール(dihydrokaempferol)からジヒドロクエルセチン(dihydroquercetin)とジヒドロミリセチン(dihydromyricetin)への全ての生化学的変換の制御に関係する。

40

【0102】

なお、上記の前駆物質の構造を含むPgn、Cyn及びDpnの生合成経路に関しては、村上孝夫、天然物の構造と化学、155~185頁、廣川書店、1984年に記載されている。

【0103】

50

本発明において、例えば、トルコギキョウ花卉の色素遺伝子型 (pigment genotype) について、 $H^T H^T P g - C y C y D p D p$ の色素遺伝子型で $P g n C y n$ 型の色素表現型 ($P g n C y n - pigment phenotype$) の場合、 $H^T H^F P g - C y C y D p D p$ の遺伝子型で $P g n C y n D p n$ 型の表現型の場合、及び $H^F H^F P g - C y C y D p D p$ の遺伝子型で $P g n$ 型の表現型の場合、いずれのフラボノイド 3'、5' - 水酸化酵素 (F 3'、5' - H) 遺伝子も、配列番号 1 に示す 8525 bp の塩基配列の遺伝子である。色素遺伝子型の表記において、「-」は、その一つ前に表記された遺伝子 (遺伝子及び / 又は遺伝子型) に優性的に支配されていることを示し、いずれの遺伝子でも用いることができることを意味する。

【0104】

例えば、 $H^Z H^Z - - C y C y D p D p$ 、 $H^D H^Z - - C y C y D p D p$ 、 $H^D H^D - - C y C y D p D p$ の色素遺伝子型で $D p n$ 型の色素表現型の場合、いずれのフラボノイド 3'、5' - 水酸化酵素 (F 3'、5' - H) 遺伝子も、配列番号 2 に示す 3115 bp の塩基配列の遺伝子である。色素遺伝子型の表記において、「- -」は、いずれの遺伝子 (遺伝子及び / 又は遺伝子型) も用いることができることを意味する。

【0105】

例えば、 $H^O H^O p g p g C y C y D p D p$ の色素遺伝子型で $C y n D p n$ 型の色素表現型、及び、 $H^O H^O P g - C y C y D p D p$ の色素遺伝子型で $P g n C y n D p n$ 型の色素表現型の場合、いずれのフラボノイド 3'、5' - 水酸化酵素 (F 3'、5' - H) 遺伝子も、配列番号 3 に示す 2498 bp の塩基配列の遺伝子である。

【0106】

本発明では、ヘテロ型の遺伝子型をフラボノイド 3'、5' - 水酸化酵素 (F 3'、5' - H) 遺伝子より同定できる。例えば、 $H^T H^O P g - C y C y D p D p$ の色素遺伝子型で $P g n C y n D p n$ 型の色素表現型の場合、フラボノイド 3'、5' - 水酸化酵素 (F 3'、5' - H) 遺伝子は、配列番号 1 に示す 8525 bp の塩基配列の遺伝子と配列番号 3 に示す 2498 bp の塩基配列の遺伝子とが検出される。例えば、 $H^T H^D P g - C y C y D p D p$ の色素遺伝子型で $P g n C y n D p n$ 型の色素表現型の場合、フラボノイド 3'、5' - 水酸化酵素 (F 3'、5' - H) 遺伝子は、配列番号 1 に示す 8525 bp の塩基配列の遺伝子と配列番号 2 に示す 3115 bp の塩基配列の遺伝子が検出される。

【0107】

アントシアニン類では、その構造中の B 環の水酸化が異なることでその呈色が決定される。すなわち、B 環の 4' 位に水酸基が 1 個有するペラルゴニン ($P g n$) はオレンジ色 ~ 朱赤色を呈し、B 環の 3'、4' 位に水酸基が 2 個有するシアニン ($C y n$) は赤色 ~ 深紅色を呈し、B 環の 3'、4'、5' 位に水酸基が 3 個有するデルフィニン ($D p n$) は赤紫 ~ 紫色を呈し、これらが共存することによって様々な花色を発現する (本多利雄ら、現代化学、25 ~ 32 頁、東京化学同人、1998 年)。

【0108】

本発明において、例えば、トルコギキョウのフラボノイド 3'、5' - 水酸化酵素 (F 3'、5' - H) 遺伝子が、配列番号 1 に示す 8525 bp の塩基配列の遺伝子であれば、赤紫色、赤色、深赤色、紫赤色、淡赤色、ピンク色、白赤色、白色の花を得ることができる。ここで、白色はアントシアニンを全く含まないことに起因する。トルコギキョウのフラボノイド 3'、5' - 水酸化酵素 (F 3'、5' - H) 遺伝子が、配列番号 2 に示す 3115 bp の塩基配列の遺伝子であれば、淡紫色、紫赤色、紫色、青紫色の花を得ることができる。トルコギキョウのフラボノイド 3'、5' - 水酸化酵素 (F 3'、5' - H) 遺伝子が、配列番号 3 に示す 2498 bp の塩基配列の遺伝子であれば、赤紫色、赤色、紫赤色の花を得ることができる。

【0109】

トルコギキョウ以外の花卉として、例えば、スイートピー ($sweet\ pea$ 、 $Lathyrus\ odoratus$) 花卉の色素遺伝子型について、 $H^T H^T P g - C y C$

10

20

30

40

50

y D p D p で P g n C y n 型 (P g n C y n 表現型) を得ることができる。H^T H^F p g p g C y C y D p D p、H^T H^D p g p g C y C y D p D p と H^O - p g p g C y C y D p D p で C y n D p n 型 (C y n D p n 表現型) を得ることができる。H^T H^T p g p g C y C y D p D p で C y n 型 (C y n 表現型) を得ることができる。H^D H^F - - C y C y D p D p と H^D H^D - - C y C y D p D p で D p n 型 (D p n 表現型) を得ることができる。H^F H^F p g p g C y C y D p D p で白色の花を得ることができる。色素遺伝子型において、「 - 」及び「 - - 」は、上記と同義である。また、D p n 型 (D p n 表現型) の色素表現型にはメチル化アントシアニン (m e t h y l a t e d a n t h o c y a n i d i n) であるマルヴィジン (m a l v i d i n、M v) とペチュニジン (p e t u n i d i n、P t) を含むが、これらは、いずれも D p n 型 (D p n 表現型) の色素表現型に包含される。さらに、C y n 型 (C y n 表現型) の色素表現型にはメチル化アントシアニンであるペオニジン (p e o n i d i n、P n) を含むが、これは C y n 型 (C y n 表現型) の色素表現型に包含される。

【0110】

さらにまた、例えば、ツツジおよびシャクナゲ花卉の色素遺伝子型について、H^T H^T p g p g C y C y D p D p で C y n 型 (C y n 表現型) を得ることができる。H^T H^F p g p g C y C y D p D p、H^T H^O p g p g C y C y D p D p、H^O H^O p g p g C y C y D p D p で C y n D p n 型 (C y n D p n 表現型) を得ることができる。H^F H^F p g p g C y C y D p D p で白色の花を得ることができる。なお、P g n D p n 型 (P g n D p n 表現型) は得られない。ツツジ花卉の色素遺伝子型の特徴として、P g n 色素 (P g n 表現型) の生合成に関するジヒドロフラボノールリダクターゼ (D F R) 又はアントシアニンシンターゼ (A S) の発現に関する遺伝子座が劣性のホモ型 (r e c e s s i v e h o m o z y g o t e) (p g p g) になっているために、P g n 色素が生成されない。D p n 型 (D p n 表現型) の色素表現型にはメチル化アントシアニンであるマルヴィジン (M v) とペチュニジン (P t) を含むが、これらは、いずれも D p n 型 (D p n 表現型) の色素表現型に包含される。さらに、C y n 型 (C y n 表現型) の色素表現型にはメチル化アントシアニンであるペオニジン (P n) を含むが、これらは C y n 型 (C y n 表現型) の色素表現型に包含される。

【0111】

花卉の花色は、花卉又は萼片、花被、苞、果皮などの有色部分から、50% (v / v) 酢酸水溶液又は50% (v / v) 酢酸メタノール (m e t h a n o l i c - a c e t i c a c i d) を用いてアントシアニン (a n t h o c y a n i n) を抽出し [酢酸の濃度は10~50%でも可能であり、酢酸の代わりに0.5~2規定塩酸を用いてもよい]、これを塩酸加水分解して、アントシアニン (a n t h o c y a n i d i n) を含む加水分解物を得て、これを高速液体クロマトグラフィー (H P L C) などを用いて各種アントシアニンを分析することによって測定できる (例えば U d d i n ら、J a p a n S o c. H o r t. S c i., 71:40-47, 2002)。

【0112】

さらに、自殖 (s e l f - p o l l i n a t i o n) や交雑を繰り返して得られた後代の遺伝子型について、優性ホモ型 (d o m i n a n t h o m o z y g o t e)、優性ヘテロ型 (d o m i n a n t h e t e r o z y g o t e)、劣性ホモ型 (r e c e s s i v e h o m o z y g o t e) などを決定し、花色と色素遺伝子型と3種のフラボノイド3'、5'-水酸化酵素 (F 3'、5'-H) 遺伝子を同定する。これに基づいて、花粉親配偶子及び種子親配偶子間の複対立遺伝子型の組み合わせと花色との相関を示す早見表を作成することができる (例えば、後述実施例7(6)参照)。早見表の例として、例えばトルコギギョウの花色を予測するための早見表 (後述の表6及び表7) が挙げられる。

【0113】

花色については、C I E L a b 表色系 (C I E L a b c o l o r c o o r d i n a t e s y s t e m) などを用いて花色を正確に測色・数値化することができる。

【0114】

したがって、花卉の3種のフラボノイド3'、5'-水酸化酵素(F3'、5'-H)遺伝子を測定し、上記配偶子間で5つの複対立遺伝子型H^T、H^F、H^Z、H^D及びH^Oの組み合わせを決定することによって、上記のような早見表を用いて、開花前の花卉の花色を予測することができる。

【0115】

キットとDNA

本発明はさらに、開花前の花卉の花色を予測するためのキットも提供する。

キットには、下記の(1)~(3)のDNA又はその断片：

(1)複対立遺伝子H^T又はH^F由来の配列番号1の塩基配列、その相補的配列、又はこれらの配列と80%以上の同一性を有する若しくはこれらの配列とストリンジентな条件下でハイブリダイズする塩基配列を含むDNA、或いは該DNAの15塩基以上の断片、

(2)複対立遺伝子H^Z又はH^D由来の配列番号2の塩基配列、その相補的配列、又はこれらの配列と80%以上の同一性を有する若しくはこれらの配列とストリンジентな条件下でハイブリダイズする塩基配列を含むDNA、或いは該DNAの15塩基以上の断片、並びに、

(3)複対立遺伝子H^O由来の配列番号3の塩基配列、その相補的配列、又はこれらの配列と80%以上の同一性を有する若しくはこれらの配列とストリンジентな条件下でハイブリダイズする塩基配列を含むDNA、或いは該DNAの15塩基以上の断片、

の少なくとも1つをプローブ又はプライマーとして含む。

プライマーのサイズは、例えば15~50塩基、好ましくは17~25塩基である。

【0116】

プローブのサイズは、15塩基以上であり、例えば20~200塩基、25~100塩基、50~80塩基などである。

プローブは、好ましくは、例えば蛍光ラベル化剤、放射性同位元素などのラベル化剤によって標識されている。蛍光ラベル化剤には、例えばローダミン、フルオレサミン、ダンシル、それらの誘導体、Cyダイなどが含まれ、一方、放射性同位元素には、例えば³²P、³⁵Sなどが含まれる。

【0117】

本発明のキットには、上記複対立遺伝子型の組み合わせと花色との相関を示す早見表をさらに含むことができる。また、キットには、PCR用の酵素やバッファー、ハイブリダイゼーション用の試薬やバッファーなどをさらに含むことができる。

【0118】

本発明のキットは、プローブを用いてサザンハイブリダイゼーションを行い、複対立遺伝子型の検定や花色の予測が可能である。

本発明はさらに、以下のDNA又はその断片を提供する。

【0119】

(4)複対立遺伝子H^T又はH^F由来の配列番号1の塩基配列、その相補的配列、又はこれらの配列と80%以上の同一性を有する若しくはこれらの配列とストリンジентな条件下でハイブリダイズする塩基配列を含むDNA、或いは15塩基以上のその断片。

【0120】

このDNAは、複対立遺伝子H^Z又はH^D由来の配列番号2の塩基配列又はこれらの配列と80%以上の同一性を有する若しくはこれらの配列とストリンジентな条件下でハイブリダイズする塩基配列を含むDNAの第1エクソン配列中に、配列番号4のレトロトランスポゾンの塩基配列又はこれらの配列と60%以上の同一性を有する若しくはこれらの配列とストリンジентな条件下でハイブリダイズする塩基配列が挿入されたDNAである。

【0121】

(5)配列番号4の塩基配列又はこれらの配列と60%以上の同一性を有する若しくはこれらの配列とストリンジентな条件下でハイブリダイズする塩基配列を含むレトロトラ

10

20

30

40

50

ンスポゾン、或いは15塩基以上のその断片。

【0122】

(6) 複対立遺伝子 H^Z 又は H^D 由来の配列番号2の塩基配列、その相補的配列、又はそれらの配列と80%以上の同一性を有する若しくはそれらの配列とストリンジェントな条件下でハイブリダイズする塩基配列を含むDNA、或いは15塩基以上のその断片。

【0123】

(7) 複対立遺伝子 H^O 由来の配列番号3の塩基配列、その相補的配列、又はそれらの配列と80%以上の同一性を有する若しくはそれらの配列とストリンジェントな条件下でハイブリダイズする塩基配列を含むDNA、或いは15塩基以上のその断片。

【0124】

本発明の上記(4)~(7)のDNA又はその断片は、プローブとして用いて蛍光 *in situ* ハイブリダイゼーション(FISH)を行うことにより、トルコギキョウなどの花卉の染色体の検出を行うこともまた可能である。また、プローブ及び/又はプライマーとして用いて、種々の植物種から本発明の配列番号1、2又は3の塩基配列を有するDNAに相当するホモログを得ることが可能であるし、また染色体マッピングなどに応用することも可能である。さらにまた、プライマーとして用いてPCRを行うと、ゲノム中より種々のDNA断片が増幅されるが、このような断片は、染色体と同様に扱うことができるので、DNA多型から染色体マッピングが可能であり、従って、そのようなプライマーを用いることで、新たな染色体マーカーや遺伝子マーカーを開発することも可能となる。さらにまた、上記DNAを遺伝子組換えなどの技術に用いることで、人為的な形質改変も

10

20

【0125】

レトロトランスポゾン

本発明者らは、上述したように、配列番号1に示す複対立遺伝子 H^T 又は H^F の塩基配列において、その第1エクソン中にレトロトランスポゾン(*rTeg1*; 配列番号4)を含むことを見出した(図2)。また、このレトロトランスポゾン配列が挿入される前の配列は複対立遺伝子 H^D 又は H^Z であることも判明した。

【0126】

本発明のレトロトランスポゾンは、配列番号4の塩基配列と通常60%以上、好ましくは70%以上、75%以上、より好ましくは80%以上、85%以上、さらに好ましくは90%以上、95%以上又は98%以上の同一性を有する、レトロトランスポゾン活性を有するDNAも包含する。このようなDNAは、トルコギキョウの品種間の突然変異体、リンドウ科の近縁種のホモログなどを包含する。

30

【0127】

ここで、「レトロトランスポゾン活性」とは、他の遺伝子に挿入されたとき、その遺伝子の機能を改変する或いは不活性化する活性をいう。

【0128】

本発明のレトロトランスポゾンを他の遺伝子、特に複対立遺伝子 H^D 又は H^Z に挿入させることによって、その遺伝子の機能を改変することも可能である。例えばフラボノイド3'、5'-水酸化酵素(F3'5'H)遺伝子にレトロトランスポゾンを挿入することで、紫の花色を赤に改変させることも可能である。

40

【0129】

すなわち、本発明はさらに、花卉の複対立遺伝子 H^Z 、 H^D 又はその両方のエクソン部分に、配列番号4の塩基配列又はそれらの配列と60%以上の同一性を有する若しくはそれらの配列とストリンジェントな条件下でハイブリダイズする塩基配列を含むレトロトランスポゾンを挿入することを含む、花卉の花色を改変する方法を提供する。

【0130】

本発明では、上記エクソンは、第1エクソンであることが好ましい。

花色の改変は、レトロトランスポゾンの挿入のために、複対立遺伝子 H^D 又は H^Z の機能が失われ、その代わりに新たに複対立遺伝子 H^T 又は H^F の機能が獲得されることによ

50

って生じる。

【0131】

本発明で使用可能な花卉には、上に例示したような双子葉植物及び単子葉植物が含まれる。

【0132】

本発明のトランスポゾンによる形質転換は、双子葉植物及び単子葉植物の一般的な形質転換法を用いて行うことができる。ベクターとしては、好ましくは、バイナリーベクター（例えば、pBI101、pBI121など）が使用される。このベクターには、T-DNA領域の左側ボーダー（LB）と右側ボーダー（RB）の間に、上記の配列番号4の塩基配列又はそれらの配列と60%以上の同一性を有する若しくはそれらの配列とストリンジエントな条件下でハイブリダイズする塩基配列を含むレトロトランスポゾン配列が挿入される。ベクターには、さらに細菌での選択用のカナマイシン耐性遺伝子、ネオマイシン耐性遺伝子などの選択マーカー、植物での選択用のネオマイシンホスホトランスフェラーゼII（NPTII）、ジヒドロ葉酸レダクターゼなどの選択マーカー、カリフラワーモザイクウイルス（CaMV）プロモーターなどのプロモーターなどを含むことができる。形質転換は、アグロバクテリウム法（アセトシリゴンの使用を含む）、パーティクルガン法、マイクロインジェクション法、エレクトロポレーション法などによって行うことができる。アグロバクテリウムの例は、アグロバクテリウム・ツメファシエンス（例えば、EHA105、EHA101など）を含む。これによって、レトロトランスポゾン配列は、相同組換えによって植物ゲノムに組み込まれる。形質転換は、カルスや多芽体などに対して実施され、通常の植物培養法を介して植物体にまで再生される。植物の遺伝子工学に関しては、例えば松橋通生ら監訳、ワトソン・組換えDNAの分子生物学、第2版、丸善、1994年；島本功ら監修、植物細胞工学シリーズ15、モデル植物の実験プロトコル、遺伝学的手法からゲノム解析まで、秀潤社などの記載を利用することができる。

【実施例】

【0133】

以下、本発明を実施例により具体的に説明するが、本発明の範囲はこれらの実施例によって限定されないものとする。

【0134】

[実施例1] トルコギキョウの葉から複対立遺伝子 H^T 、 H^F 、 H^Z 、 H^D 、 H^O のF3'、5'-H DNAの確認

トルコギキョウの5系統の成葉から、Plant Genomic DNA Miniキット（バイオジーン社）を使用し、DNAを抽出した。レトロトランスポゾン挿入部位を挟み込む形で下記の2種類のプライマー組を設計した。

プライマー組R：

G T A C T T A A A G G T A G G C A G C T G T G G A T A C C T C C C T A T A G A C G A G A A G C C（配列番号7）

プライマー組L：

G T A C T T A A A G G T A G G C A G C T G T G G C C T C T T G C T G C T A T G G T C A C T C（配列番号8）

【0135】

PCRはGene Amp 9700システム（ABI社）を使用して行った。反応液20 μ l中には10 ng DNA、0.5 units TAKARA EX Taq HS（タカラバイオ社）、0.2 mM dNTPs、2 μ l 10 \times EX Taq バッファー、0.4 μ Mプライマーが含まれる。PCR条件は、95 $^{\circ}$ Cで10秒間の変性、62 $^{\circ}$ Cで30秒間のアニーリング、72 $^{\circ}$ Cで3分の伸長反応を1サイクルとし、45サイクル反応させた。反応後、1%アガロースゲルS（ニッポンジーン社）上の電気泳動によりバンドの確認を行った。その結果を図1に示す。 H^T と H^F は約8 kbの同様のバンド、 H^Z と H^D は約3 kbの同様のバンド、 H^O は2.5 kbのバンドを示すことが分かる（図1）。図1中、プライマー組Rを用いて検出したバンドが右（R）、プライマー組Lを用いて検出したバ

ンドが左のバンド (L) である。

【 0 1 3 6 】

[実施例 2] トルコギキョウの葉から複対立遺伝子 H^T 及び H^F に関わる $F 3'$ 、 $5'$ - H DNA の構造の確認

実施例 1 の結果、花卉にデルフィニジンが存在しない系統では、全ての系統で、レトロトランスポゾンの挿入を示す約 8 kb のバンドが観察された。これに対して、デルフィニジンが存在する系統では、2 ~ 2.5 kb のバンドのみが存在する場合と、2 ~ 2.5 kb のバンドと 8 kb のバンドの両方が存在する場合があった。これらのバンドの配列はダイレクトシーケンス法によって決定した。具体的には、得られたバンドから Q I A E X I I g e l - p u r i f i c a t i o n k i t s (Q i a g e n) を使用して DNA を抽出した。抽出された断片 DNA はプライマーウォーキング法による塩基配列の決定に供された。シーケンス反応は Big Dye Terminator Ver. 3 によるサイクルシーケンスを採用した。反応液 20 μ l 中には 10 ~ 100 ng DNA、2 μ l Big Dye Terminator Ver. 3 プレミックス、1.5 μ l 10 \times Taq バッファー (ニッポンジーン社)、100 ng DNA、3.2 pm プライマーが含まれる。サイクルシーケンス反応の条件は、96 で 10 秒間の変性、50 で 5 秒間のアニーリング、60 で 4 分間の伸長反応を 1 サイクルとし、25 サイクル反応させた。反応後、反応産物をエタノール / 酢酸ナトリウム沈殿により精製し、鹿児島大学フロンティアサイエンス研究推進センター (鹿児島) の DNA シーケンス解析サービスに依頼し、末端から約 500 bp 程度の配列を決定した。決定された配列をもとにプライマーを設計し、再び、サイクルシーケンシングによる配列決定を進め、最終的に全長の配列を決定した。

10

20

【 0 1 3 7 】

この結果を図 2 に示す。複対立遺伝子 H^T 及び H^F に関わる $F 3'$ 、 $5'$ - H DNA の構造は配列番号 1 に示す 8525 bp の塩基配列の遺伝子であることが分かる。また、レトロトランスポゾンの構造は、配列番号 4 に示す 5405 bp の塩基配列の遺伝子であることが分かる (図 2)。

【 0 1 3 8 】

[実施例 3] トルコギキョウの葉から複対立遺伝子 H^Z 及び H^D に関わる $F 3'$ 、 $5'$ - H DNA の構造の確認

実施例 1 と同じ方法で、 H^D をホモで持つ系統から DNA を抽出し、トルコギキョウのフラボノイド $3'$ 、 $5'$ - 水酸化酵素 ($F 3'$ 、 $5'$ - H) 遺伝子の翻訳領域全てを挟み込む形でプライマー ($5'$ - G G C C G C A T T C T T A C C A A G A T - $3'$ (配列番号 9) 及び $5'$ - T A G A A A C A T G G A C G A A C T C C - $3'$ (配列番号 10) の DNA 配列を有するオリゴヌクレオチド) を設計した。実施例 1 及び 2 と同じ方法で PCR を行い、電気泳動のバンドから DNA を抽出し、塩基配列を決定した。

30

40

【 0 1 3 9 】

この結果を図 2 に示す。複対立遺伝子 H^Z 及び H^D に関わる $F 3'$ 、 $5'$ - H DNA の構造は、配列番号 2 に示す 3115 bp の塩基配列の遺伝子であることが分かる (図 2)。

【 0 1 4 0 】

[実施例 4] トルコギキョウの葉から複対立遺伝子 H^O に関わる $F 3'$ 、 $5'$ - H DNA の構造の確認

実施例 3 と同じ方法で、 H^O をホモで持つ系統から DNA を抽出し PCR を行い、電気泳動のバンドから DNA を抽出し、塩基配列を決定した。この結果を図 2 に示す。複対立遺伝子 H^O に関わる $F 3'$ 、 $5'$ - H DNA の構造は、配列番号 3 に示す 2498 bp の塩基配列の遺伝子であることが分かる (図 2)。

【 0 1 4 1 】

[実施例 5] 複対立遺伝子 H^T 、 H^F 、 H^Z 、 H^D 、 H^O の $F 3'$ 、 $5'$ - H DNA が翻訳する蛋白質の構造

50

(1) 複対立遺伝子 H^T 、 H^F に関わる、配列番号 1 に示す 8525 bp の塩基配列の F 3'、5' - H DNA が翻訳する蛋白質の構造

複対立遺伝子 H^T 、 H^F に関わる、配列番号 1 に示す 8525 bp の塩基配列から予測されるアミノ酸配列の検討を行った結果、下記の 2 つの蛋白質、一つは 136 個のアミノ酸配列を有する蛋白質と、もう一つは 386 個のアミノ酸配列を有する蛋白質の、2 種類を翻訳することが分かった。

MAVGNGLVLLHIAASLMLFFHVQKLVQYLWMNSRRHRLPPG
PIGWVPLGALRLLGTMPhVALANMAKKYGPVMYLKVGSCG
LAVASTPEAAKAFKTLDMNFSNRPPNAGATHLAYNAQDM
VFADYGP RWKLLRKL C (配列番号 11);

10

MKNVMFPSNKL SNIHILGGKALQGWEEVRKKELG YMLYAM
AESGRHGQP VVVSEMLTYAMANMLGQVMLS KR VFGS QGSE
SNEFKDMVVELMTVAGYFNIGDFIPSI AWMDLQGIQGGMK
RLHKKFDALLTR LLEEHTAS AHERKGS PDFLDFV VANGDN
SEGERLQTVNIKALLLNMF TAGTDTSSSVIEWALAE LLKN
PIILRRAQEEMDGVIGRDRRFL EADISKLPYLQAICKEAF
RKHPSTPLNLPRIASQACEVNGHYIPK GTRLSVNIWAIGR
DPSVWENPN EFNPDRFLERKNAKIDPRGNDFELIPFGAGR
RICAGTR L GILLVEYILGTLVHSFVWELPSSVIELNMDES
FGLALQKAVPLAAMVTPRLPLHIYSP (配列番号 12)

20

【0142】

(2) 複対立遺伝子 H^Z 、 H^D に関わる、配列番号 2 に示す 3115 bp の塩基配列の F 3'、5' - H DNA が翻訳する蛋白質の構造

複対立遺伝子 H^Z 、 H^D に関わる、配列番号 2 に示す 3115 bp の塩基配列から予測されるアミノ酸配列の検討を行った結果、下記の 510 個のアミノ酸配列を有する蛋白質を翻訳することが分かった。この蛋白質のアミノ酸配列構造は、非特許文献 7 のそれと一致した。

MAVGNGLVLLHIAASLMLFFHVQKLVQYLWMNSRRHRLPPG
PIGWVPLGALRLLGTMPhVALANMAKKYGPVMYLKVGSCG
LAVASTPEAAKAFKTLDMNFSNRPPNAGATHLAYNAQDM
VFADYGP RWKLLRKL SNIHILGGKALQGWEEVRKKELG YM
LYAMAESGRHGQP VVVSEMLTYAMANMLGQVMLS KR VFGS
QGSE SNEFKDMVVELMTVAGYFNIGDFIPSI AWMDLQGIQ
GGMKRLHKKFDALLTR LLEEHTAS AHERKGS PDFLDFVVA
NGDNS EGERLQTVNIKALLLNMF TAGTDTSSSVIEWALAE
LLKNPIILRRAQEEMDGVIGRDRRFL EADISKLPYLQAIC
KEAFRKHPSTPLNLPRIASQACEVNGHYIPK GTRLSVNIWA
AIGRDP SVWENPN EFNPDRFLERKNAKIDPRGNDFELIPF
GAGR RICAGTR L GILLVEYILGTLVHSFVWELPSSVIELN
MDES FGLALQKAVPLAAMVTPRLPLHIYSP (配列番号 13)

30

40

【0143】

(3) 複対立遺伝子 H^O に関わる、配列番号 3 に示す 2498 bp の塩基配列の F 3'、5' - H DNA が翻訳する蛋白質の構造

複対立遺伝子 H^O に関わる、配列番号 3 に示す 2498 bp の塩基配列から予測されるアミノ酸配列の検討を行った結果、下記の 510 個のアミノ酸配列を有する蛋白質を翻訳することが分かった。

MAVGNGLVLLHIAASLMLFFHVQKLVQYLWMNSRRHRLPPG
PIGWVPLGALPLLLGTMPhVALANMAKKYGPVMYLKVGSCG
LAVASTPEAAKAFKTLDMNFSNRPPNAGATHLAYNAQDM
VFADYGP RWKLLRKL SNIHILGGKALQGWEEVRKKELG YM

50

LYAMAESGRHGGQPVVVSEMLTYAMANMLGQVMLS KR VFGS
 QGSESNFKDMVVELMTVAGYFNIGDFIPSI AWMDLQGIQ
 GGMKRLHKKFDALLTRLLEEHTASAHERKGS P DFLDFVVA
 NRDNSEGERLHTVNIKALLLNMF TAGTDTSSSVIEWALAE
 LLKNPIILKRAQEEMDGVIGRDRRFL EADISKLPYLQAIC
 KEAFRKHPS TPLNLPRIASQACEVNGHYIPKGRRLSVNIW
 AIGRDP SLWENPNEFNPD RFLERKNAKIDPRGND FELIPF
 GAGRRI CAGTRLGILLVEYILGTLVHSFDWELPSSVIELN
 MDEPFG LALQKAVPLAAMVTPRLPLHIYCP (配列番号14)

【0144】

10

(4) 配列番号4に示す5405bpの塩基配列のレトロトランスポゾンDNA (rt eg 1) が翻訳する蛋白質の構造

配列番号4に示す5405bpの塩基配列から予測されるアミノ酸配列の検討を行った結果、下記の1591個のアミノ酸配列を有する蛋白質を翻訳することが分かった。

MSETSPNPQEPKTES SVHTTPGDLALQVAQILKDSL GSTP
 SQSITLPENLNVAVKLTGNNYS LWSRIIYRAILGRGRQYH
 LTGTPPPPLPTDPRFSRWEQDDNSVFTWILQNVDA SMINN
 VSRYP TAKALWDGLALTYGSRGDSLQVFDLHRKAN NIRQG
 DDTLEACWNNLQDIWVSI DTLDTNPMKCPEDISLYNQKMQ
 EFRLYQFLTAVSDRFETE KKE LKRTPLPNVEAAFFEFKR
 AESQAGLIKHG PSEQISSLGIGQGLTVK PATGKGRGKGT D
 RSMNTIRSNNAS SRMDKSNLLCEHCGKKGHSREKCFQIHG
 YPEWWE GKRI TTGQGKTA AARTPGEGVSSNEA QMTGESRE
 EEEQNREN PRAQGN SAAAGMGLGENPSPNP PFKSIFTPHA
 PHFSVLS PDPLSSSDIIFPSPSSLNFSPPSPQSSHRANMV
 QHTSEFTDQPHTFPISR LDTHTSPKYPFSPQPPPGLSHHI
 RVTPSQWIFDCGATDTMTFDPTDLLTQSPPLKSHVETASG
 DTIPVQASGPITITPDITLQNC LLVPSLSTKLLSISQLTK
 ALDCVVL MYPSFCLLQDIRTQAIIGRGTENGGLYYVDAVV
 QHGSSNLATGTVTRQIWLWHRRLGHPSFSYLQKLFPTLFS
 RTL PPLTCDTCLRAKQPRATYRSNNTRVNKVFS LIHSDVW
 GPSPHSTPCGFKYFVIFVDDCSRMTWLYILRHKSEVATKF
 VEFYHMIHTQYSSTIQILRTDNGGEYFAGALQQFFRDNGI
 IHQTTC PDTP EQNGVAERKNRTLLEMTRALMLESSVPRFL
 WPEAVSTATYLSNRLPTVTLNHQTPLDVLASQTLIPSLLT
 LPPKVFGCTVFIHISKTHRDKLDPCA EKCVFVGYASTQKG
 YRCYNPRTRQIHVTLNCV FLETEFFFGTHPRSQGEIATDG
 YLDWLPNLSWSVADPTRQVVE PACTIAPSDNMDSIPVPTN
 DIPRENVLQQVNESIHDDTGSPVPFSSPPFPNTTLLDDSL
 TTSIAIPDPSS ELDHTNPCVKEQGRTLPPRKRTRGVPPDRY
 SPTKIARATLYPVSTSRKNLGHAAK AFFTQICSEKIPRTV
 DEACSQSNWRDAMIMEMDALNKNNTWERCQLPPGKRTVGC
 RWVFTVKYKADGTIERHKARLVAKGYTQTYGVDYSETFSP
 VARIDTIRVLF AIAATENWPLHQFDVKNAFLHGTLKEEVF
 MDP PPGFSKEFLPGQVCKLNRA LYGLKQSPRAWFG RFTQA
 MKKDGYRQSNADHTLFIKRQGS LVTC LI IYVDDMIITGND
 ANEISR LRDYLF TQFEMKDLGGLKYFLGIEVLRSAEGIYI
 SQRKYILDLLTEVGLLDAKPADTPMVQNHKLDIVQGAASA
 DREQYQRLV GKLIYLSHTRPDIAYAVGVVSQFMHSPQKHH
 LEAVFRIMRYLKGTPGRGLL FKNNGHLNIEAYTDADWAGS

20

30

40

50

Q I D R R S T S G Y F T L V G G N V V T W R S K K Q K V V A L S S A E A E Y R G
 I V K G V S E V L W I R K L L Q E L G F P V T D P T C L M C D N K A S I S I S E
 N P V Q H D R T K H V E I D R H F V K E K I E D G I I A L P H V R S E D Q L A D
 I L T K A V N G R I F E F I L R K L N I V D P T I Q L E G E C (配列番号 1 5)
 【 0 1 4 5 】

[実施例 6] トルコギキョウの葉からヘテロ型複対立遺伝子の F 3 '、5 ' - H DNA の確認

紫とピンク色の花色を有する 4 系統のトルコギキョウの葉から F 3 '、5 ' - H DNA の遺伝子を抽出した。DNA の抽出、PCR、電気泳動は実施例 1 の方法に従った。PCR のプライマーは実施例 1 の図 1 の (R) のプライマーを用いた。

10

【 0 1 4 6 】

その結果を図 3 に示す。H^T、H^D、H^O をホモで有する個体ではそれぞれ、H^T ホモでは配列番号 1 に示す 8 5 2 5 b p の塩基配列、H^D ホモでは配列番号 2 に示す 3 1 1 5 b p の塩基配列、H^O ホモでは配列番号 3 に示す 2 4 9 8 b p の塩基配列に対応するそれぞれのバンド E f 3、E f 2、E f 1 が現れた。H^T と H^D の複対立遺伝子をヘテロ型で有する系統の電気泳動のバンドは、配列番号 1 に示す 8 5 2 5 b p の塩基配列と、配列番号 2 に示す 3 1 1 5 b p の塩基配列に対応する各バンド E f 3 と E f 2 を示し、一方、H^T と H^O の複対立遺伝子をヘテロ型で有する系統の電気泳動のバンドは、配列番号 1 に示す 8 5 2 5 b p の塩基配列と、配列番号 3 に示す 2 4 9 8 b p の塩基配列に対応する各バンド E f 3 と E f 1 を示すことが分かる (図 3)。M と 1 K はマーカーを示す。

20

【 0 1 4 7 】

[実施例 7] トルコギキョウの色素表現型、色素遺伝子型の帰属、花色測色と F 3 '、5 ' - H DNA バンドの検出

(1) トルコギキョウ市販品種の調査

園芸品種 ' あすかの舞姫 '、' あずまの粧 '、' キングオブスノー ' の品種について、特許文献 8 に記載の花色遺伝型交配法を用いて、CIE L a b 表色系を用いて花色を測定し、高速液体クロマトグラフィーを用いてアントシアニジンの色素表現型を分析した。また、前記した実施例と同様にフラボノイド 3 '、5 ' - 水酸化酵素 (F 3 '、5 ' - H) DNA バンドを測定した。その結果を表 1 に示す。

30

【 0 1 4 8 】

【 表 1 】

品種名	フラボノイド色素の組成 (%)					色素遺伝子型	花色 (CIE Lab)			DNA バンド
	Pg	Cy	Pn	Dp	Pt		L*	C*	h	
あすかの舞姫	98.8	1.2	-	-	-	ddEeH ^T H ^T Pg - CyCyDpDp	35.1	63.1	1.5	Ef3
あずまの粧	99.7	0.3	-	-	-	ddEeH ^T H ^T Pg - CyCyDpDp	65.3	35.0	-1.0	Ef3
キングオブスノー-2	100	-	-	-	-	DdeeH ^F H ^F Pg - CyCyDpDp	88.5	4.3	93.4	Ef3
キングオブスノー-9	-	-	-	90.0	10.0	DdeeH ^D H ^D Pg - CyCyDpDp	91.2	9.6	106.0	Ef2
キングオブスノー-10	-	-	-	100	-	DdeeH ^D H ^F Pg - CyCyDpDp	89.6	5.0	98.0	Ef2Ef3
キングオブスノー-11	-	-	-	100	-	DdeeH ^D H ^D Pg - CyCyDpDp	90.5	5.9	93.8	Ef2

40

【 0 1 4 9 】

覆輪系の ' あすかの舞姫 ' と ' あずまの粧 ' は、共に色素表現型が P g n C y n 型であったこと、及び、共に配列番号 1 に示す 8 5 2 5 b p の塩基配列に対応するバンド E f 3 を検出したことから、色素遺伝子型が d d E e H^T H^T P g - C y C y D p D p であることが分かる。' あすかの舞姫 ' と ' あずまの粧 ' は、共に赤色の花色を示した。

【 0 1 5 0 】

また、覆輪系の ' あすかの舞姫 ' は、明度が 3 5 . 1 と比較的暗く、彩度は 6 3 . 1 と大変鮮やかな花色を有する。また、色素角は 1 . 5 度と赤色方向の色であった。' あずまの粧 ' は、明度が 6 5 . 3 と明るく、彩度は 3 5 . 3 と鮮やかな花色である。また、色素

50

角は - 1 . 0 度と赤色方向の色であった。

【 0 1 5 1 】

八重系の ' キングオブスノー ' の品種 2 について、色素表現型が P g n 型であったこと、及び、配列番号 1 に示す 8 5 2 5 b p の塩基配列に対応するバンド E f 3 を検出したことから、色素遺伝子型が D d e e H^F H^F P g - C y C y D p D p であることが分かる。

【 0 1 5 2 】

一方、八重系の ' キングオブスノー ' の品種 9 及び 1 1 については、色素表現型が D p n 型であったこと、及び、配列番号 2 に示す 3 1 1 5 b p の塩基配列に対応するバンド E f 2 を検出したことから、色素遺伝子型が D d e e H^D H^D P g - C y C y D p D p であることが分かる。

10

【 0 1 5 3 】

また、八重系の ' キングオブスノー ' の品種 1 0 については、色素表現型が D p n 型であったこと、及び、配列番号 2 に示す 3 1 1 5 b p の塩基配列と配列番号 1 に示す 8 5 2 5 b p の塩基配列に対応するバンド E f 2 と E f 3 を同時に検出したことから、色素遺伝子型が D d e e H^D H^F P g - C y C y D p D p であることが分かる。

【 0 1 5 4 】

' キングオブスノー ' は、明度が 8 8 ~ 9 2 の範囲であって大変明るく、彩度は 4 ~ 1 0 の範囲でありほぼ白色の花色を有する。また、色素角は 9 3 ~ 1 0 6 度の範囲であって、黄色方向の色であった、肉眼では大変薄いクリーム色の花色であった。

【 0 1 5 5 】

このように、従来では、八重系の ' キングオブスノー ' の品種 9 ~ 1 1 の品種群で、花色遺伝型交配法により、ヘテロ型かホモ型か見分けることができなかったが、DNA バンドを検出することによって、複対立遺伝子型について、品種 9 及び 1 1 は H^D H^D のホモ型、品種 1 0 は H^D H^F のヘテロ型であることを見分けることが可能である。これら 4 種の ' キングオブスノー ' の品種は、色素の蓄積が少なかったことからほとんどの品種がクリーム色の「白色」を示した。

20

【 0 1 5 6 】

(2) トルコギキョウ市販品種の自殖後代 S₁ の調査

園芸品種 ' あすかのそよ風 (A S Y 1 7 系統) '、' アクロポリスホワイト (A W 3 系統) '、' キャンディーオーキッド (C A O 2 4 系統) '、' パピオンローズピンク (P R P 5 系統) ' の品種を自殖し、後代 S₁ について、特許文献 8 に記載の花色遺伝型交配法を用いて、C I E L a b 表色系を用いて花色を測定し、高速液体クロマトグラフィーを用いてアントシアニジンの色素表現型を分析した。また、前記の実施例と同様にフラボノイド 3 '、5 ' - 水酸化酵素 (F 3 '、5 ' - H) DNA バンドを測定した。その結果を表 2 に示す。

30

【 0 1 5 7 】

【表 2】

系統名	アノキサニン色素の組成 (%)					色素遺伝子型	花色 (CIELab)			DNA バンド
	Pg	Cy	Pn	Dp	Pt		L*	C*	h	
ASY 17-13	+	2.5	-	94.9	2.5	dd ^{ee} H ^T H ^D Pg - CyCyDpDp	25.8	85.2	-21.7	Ef2Ef3
ASY 17-22	99.7	0.3	-	-	-	dd ^{ee} H ^T H ^T Pg - CyCyDpDp	56.2	40.3	-1.3	Ef3
AW3-8	-	-	-	100	-	ddE - H ^D H ^D - - CyCyDpDp	92.5	11.4	107.0	Ef2
CAO24-5	100	+	-	-	-	dd ^{ee} H ^T H ^T Pg - CyCyDpDp	90.6	8.0	104.0	Ef3
CAO24-6	99.4	0.6	-	-	-	dd ^{ee} H ^T H ^T Pg - CyCyDpDp	77.0	23.1	-3.5	Ef3
CAO24-20	2.7	72.0	-	25.3	+	dd ^{ee} H ^O H ^O Pg - CyCyDpDp	69.4	30.1	-27.1	Ef1
PRP5-1	45.0	52.7	1.6	0.8	-	D - eeH ^O H ^O Pg - CyCyDpDp	58.4	44.6	-14.7	Ef1
PRP5-2	99.5	0.5	-	-	-	D - eeH ^T H ^T Pg - CyCyDpDp	61.3	39.7	-3.2	Ef3
PRP5-15	99.6	0.4	-	-	-	dd ^{ee} H ^T H ^T Pg - CyCyDpDp	55.6	49.0	-5.6	Ef3

10

20

【0158】

‘あすかのそよ風’の自殖後代S₁のASY17-13系統はEf2とEf3の二つのバンドを検出し(赤紫色を示し)、ASY17-22系統はEf3のバンド(赤色)を検出した。この結果、‘あすかのそよ風’の色素遺伝子型はdd^{ee}H^TH^DPg - CyCyDpDpであることが分かる。‘あすかのそよ風’の自殖後代S₁のASY17-13系統は、大変鮮やかで(85.2)、赤紫色の花色(-21.7)であった。一方、ASY17-22系統は、やや鮮やかで(40.3)、赤色の花色(-1.3)であった。

【0159】

‘アクロポリスホワイト’の自殖後代S₁は、花色の分離がAW3-8系統と同様であり、Ef2のバンドを検出したことから、‘アクロポリスホワイト’の色素遺伝子型はddE - H^DH^D - - CyCyDpDpであることが分かる。‘アクロポリスホワイト’の品種は色素蓄積が少ないことから、クリーム色の「白色」を示した。‘アクロポリスホワイト’の自殖後代S₁のAW3-8系統は、CIELab測定の結果、大変明るく(92.5)、黄色方向の花色(107.0)を示した。

30

【0160】

‘キャンディーオーキッド’の自殖後代S₁は花色が分離したことから、その3種のCAO24系統を分析した。その結果、CAO24-5(クリーム色の「白色」を示した)とCAO24-6(赤色花)はEf3のバンドを検出し、一方CAO24-20(紫赤色花)はEf1のバンドを検出したことから、‘キャンディーオーキッド’の色素遺伝子型はdd^{ee}H^TH^OPg - CyCyDpDpであることが分かる。‘キャンディーオーキッド’の自殖後代S₁は花色が分離したことから、その3種のCAO24系統を分析した。CIELab測定の結果、CAO24-5は黄色方向の色(104.0)で、大変明るい色(90.6)を有し、CAO24-6は赤色方向の色(-3.5)で、やや鮮やかな色(23.1)を有し、CAO24-20はやや鮮やかな色(30.1)であり、赤紫色方向の色(-27.1)であった。

40

【0161】

‘パピオンローズピンク’の自殖後代S₁のは花色が分離したことからその3種のPRP5系統を分析した。その結果、PRP5-2(赤色花)とPRP5-15(赤色花)はEf3のバンドを検出し、一方PRP5-1(赤紫色花)はEf1のバンドを検出したことから、‘キャンディーオーキッド’の色素遺伝子型はdd^{ee}H^TH^TPg - CyCy

50

D p D pであることが分かる。‘パピオンローズピンク’のPRP5-2とPRP5-15は、明るさは明るく(61.3, 55.6)、鮮やかさはやや鮮やか(39.7, 49.0)であり、両者赤色方向の花色(-3.2, -5.6)であった。一方、PRP5-1の明るさと鮮やかさ(58.4, 44.6)は、前2者と同様であったが、色相は赤紫色方向の色(-14.7)を示した。

【0162】

(3)トルコギキョウ野生型交雑種の調査

トルコギキョウ野生型交雑種: *Eustoma grandiflorum* アリゾナ系統(AZ3(Dp)7)、*Eustoma grandiflorum* テキサス系統(TX34)の自殖後代S₂~S₃について、特許文献8に記載の花色遺伝型交配法を用いて、CIELab表色系を用いて花色を測定し、高速液体クロマトグラフィーを用いてアントシアニジンの色素表現型を分析した。また、前記した実施例と同様にフラボノイド3'、5'-水酸化酵素(F3'、5'-H) DNAバンドを測定した。その結果を表3に示す。

10

【0163】

【表3】

系統名	アントシアニン色素の組成(%)					色素遺伝子型	花色(CIELab)			DNA バンド
	Pg	Cy	Pn	Dp	Pt		L*	C*	h	
AZ3(Dp)7-6	-	-	-	100	-	dd ee H ^D H ^D - - Cy Cy Dp Dp	26.7	82.7	-23.1	Ef2
TX341-5	97.2	2.8	-	-	-	dd ee H ^T H ^T Pg Pg Cy Cy Dp Dp	83.5	15.3	0.4	Ef3
TX341-10	98.4	1.6	-	-	-	dd ee H ^T H ^T Pg Pg Cy Cy Dp Dp	70.8	28.0	-0.5	Ef3
TX343-4	97.4	2.6	-	-	-	dd ee H ^T H ^T Pg Pg Cy Cy Dp Dp	67.0	37.2	-6.7	Ef3
TX343-5	77.6	22.4	-	-	-	dd ee H ^T H ^T Pg Pg Cy Cy Dp Dp	84.2	14.1	3.9	Ef3
TX343-11	98.3	1.7	-	-	-	dd ee H ^T H ^T Pg Pg Cy Cy Dp Dp	70.9	30.1	-1.3	Ef3

20

【0164】

Eustoma grandiflorum アリゾナ系統AZ3(Dp)7-6の花色は紫赤色であり、Ef2のバンドを検出した。色素表現型がDpn型であったことから、*Eustoma grandiflorum* アリゾナ系統AZ3(Dp)7-6の色素遺伝子型はdd ee H^D H^D - - Cy Cy Dp Dpであることが分かる。アリゾナ系統AZ3(Dp)7-6の花色は非常に暗く(26.7)、鮮やかさはとても鮮やか(82.7)で、色相は赤紫色方向の花色(-23.1)であった。

30

【0165】

Eustoma grandiflorum テキサス系統TX34の5系統は、すべて赤色の花であり、Ef3のバンドであった。色素表現型がPgnCyn型であったことから、*Eustoma grandiflorum* テキサス系統TX34の5系統の色素遺伝子型はすべてdd ee H^T H^T Pg Pg Cy Cy Dp Dpであることが分かる。テキサス系統TX34の5系統は、明るさは概ね67~85の値の範囲で明るく、鮮やかさは14~38の値の範囲であまり鮮やかではないかやや鮮やかな範囲であり、色相は-7~4度の範囲であり、従って、5系統の色相は概ね赤色方向の色であった。

40

【0166】

(4)トルコギキョウ野生型交雑種の自殖後代S₁の調査

トルコギキョウ野生型交雑種: *Eustoma grandiflorum* テキサス系統(TX61)の自殖後代S₂について、特許文献8に記載の花色遺伝型交配法を用いて、CIELab表色系を用いて花色を測定し、高速液体クロマトグラフィーを用いてアントシアニジンの色素表現型を分析した。また、前記した実施例と同様にフラボノイド3'、5'-水酸化酵素(F3'、5'-H) DNAバンドを測定した。その結果を表4に示す。

【0167】

50

【表 4】

系統名	アントシアニン色素の組成 (%)					色素遺伝子型	花色 (CIELab)			DNA バンド
	Pg	Cy	Pn	Dp	Pt		L*	a*	b*	
TX61-1	-	9.8	-	86.9	3.3	dd ^{ee} H [○] H [○] T [○] pgpgCyCyDpDp	43.6	54.3	-33.4	Ef1Ef3
TX61-2	-	3.8	-	93.8	1.3	dd ^{ee} H [○] H [○] p [○] g [○] p [○] g [○] CyCyDpDp	40.9	60.1	-34.3	Ef1
TX61-3	92.9	7.1	-	-	-	dd ^{ee} H ^T H ^T Pg - CyCyDpDp	83.8	13.5	4.8	Ef3
TX61-5	94.9	5.1	-	-	-	dd ^{ee} H ^T H ^T Pg - CyCyDpDp	80.1	16.6	6.1	Ef3
TX61-6	100	+	-	-	-	dd ^{ee} H ^T H ^T Pg - CyCyDpDp	66.2	31.7	-1.7	Ef3
TX61-8	+	8.8	+	88.8	2.5	dd ^{ee} H [○] H [○] T [○] pg - CyCyDpDp	47.8	46.6	-23.2	Ef1Ef3
TX61-9	99.1	0.9	-	-	-	dd ^{ee} H ^T H ^T Pg - CyCyDpDp	80.3	16.9	-1.7	Ef3
TX61-11	+	8.7	+	89.9	1.4	dd ^{ee} H [○] H [○] T [○] pg - CyCyDpDp	51.1	39.3	-26.4	Ef1Ef3
TX61-15	98.8	1.2	-	-	-	dd ^{ee} H ^T H ^T Pg - CyCyDpDp	62.9	36.7	-4.1	Ef3

10

【0168】

TX61-2は、紫赤色の花色であり、Ef1のバンドであった。色素表現型がCynDpn型であったことから、TX61-2の色素遺伝子型はdd^{ee}H[○]H[○]p[○]g[○]p[○]g[○]CyCyDpDpであることが分かる。

【0169】

TX61-1は、紫赤色の花色であり、Ef1とEf3の2つのバンドを検出した。色素表現型がCynDpn型であったことから、TX61-1の色素遺伝子型はdd^{ee}H[○]H^TpgpgCyCyDpDpであることが分かる。

20

【0170】

TX61-8及びTX61-11は、赤紫色の花色であり、Ef1とEf3の2つのバンドを検出した。色素表現型がPgnCynDpn型であったことから、TX61-8及びTX61-11の色素遺伝子型はdd^{ee}H[○]H^TPg - CyCyDpDpであることが分かる。

【0171】

TX61-3、TX61-5、TX61-6、TX61-9、TX61-15の5系統は、いずれも赤色の花色であり、Ef3のバンドであった。色素表現型がCynDpn型であったことから、TX61-2の色素遺伝子型はdd^{ee}H[○]H[○]p[○]g[○]p[○]g[○]CyCyDpDpであることが分かる。TX61の系統では、複対立遺伝子型がH[○]を保有するものは概ね紫色から紫赤色の色相角(h)を示し(-23度~-34度の値)、複対立遺伝子型がHTのホモ型になっているものは、概ね赤色の色相角(-1度~4度の値)を示した。

30

【0172】

(5)トルコギキョウ市販品種の自殖後代S₃の調査

園芸品種‘ロイヤルバイオレット(RV10CR41系統)’、‘あすかの舞姫(AM1A系統)’、‘あずまの粧(AY2A9系統)’を自殖し、後代S₃について、特許文献8に記載の花色遺伝型交配法を用いて、CIELab表色系を用いて花色を測定し、高速液体クロマトグラフィーを用いてアントシアニジンの色素表現型を分析した。また、前記した実施例と同様にフラボノイド3’、5’-水酸化酵素(F3’、5’-H) DNAバンドを測定した。その結果を表5に示す。

40

【0173】

【表 5】

系統名	フラボノイド色素の組成 (%)					色素遺伝子型	花色 (CIELab)			DNA バンド
	Pg	Cy	Pn	Dp	Pt		L*	C*	h	
RV10CR41-1	-	-	-	97.4	2.6	ddeeH ^D H ^D - - CyCyDpDp	35.7	62.8	-29.7	Ef2
RV10CR41-5	-	-	-	100	-	ddeeH ^D H ^D - - CyCyDpDp	25.3	90.3	-23.5	Ef2
AM1A1-10	99.0	1.0	-	-	-	ddE - H ^T H ^T Pg - CyCyDpDp	26.4	86.1	1.8	Ef3
AM1A1-12	98.9	1.1	-	-	-	ddE - H ^T H ^T Pg - CyCyDpDp	21.1	105.3	2.2	Ef3
AM2A9-3	98.9	1.1	-	-	-	ddE - H ^T H ^T Pg - CyCyDpDp	42.0	59.8	-2.8	Ef3
AY2A9-12	100	+	-	-	-	ddeeH ^T H ^T Pg - CyCyDpDp	58.3	42.6	-4.3	Ef3
AY2A9-19	100	+	-	-	-	ddE - H ^T H ^T Pg - CyCyDpDp	62.8	34.6	-1.3	Ef3

10

【0174】

‘ロイヤルバイオレット’のRV10CR41の2系統は、赤紫（hが-23.5度）～紫赤色（hが-29.7度）の花色であり、いずれもEf2のバンドであった。色素表現型がDpn型であったことから、RV10CR41の2系統の色素遺伝子型はddeeH^DH^D- - CyCyDpDpであることが分かる。

【0175】

‘あすかの舞姫’のAM1Aの3系統は、いずれも赤色（hが-2.2～-2.8度の範囲）の花色であり、Ef3のバンドであった。色素表現型がPgnCyn型であったことから、AM1Aの3系統の色素遺伝子型はddE - H^TH^TPg - CyCyDpDpであることが分かる。

20

【0176】

‘あずまの粧’のAY2A9の2系統は、いずれも赤色（hが-1.3と-4.3度）の花色であり、Ef3のバンドであった。色素表現型がPgnCyn型であったことから、AY2A9-12及びAY2A9-19の2系統の色素遺伝子型はそれぞれ、ddeeH^TH^TPg - CyCyDpDp及びddE - H^TH^TPg - CyCyDpDpであることが分かる。

【0177】

(6) 早見表の作成

トルコギキョウを例にとりながら、各複対立遺伝子の組み合わせから花色とフラボノイド3'、5'-水酸化酵素（F3'、5'-H）遺伝子に対応する3つのバンド、Ef1、Ef2、Ef3を知ることのできる早見表を、表6及び表7に示す。行には花粉親の配偶子を示し、列には種子親の配偶子を示す。表6は、Pg/pg、Cy/cy及びDp/dpで示される遺伝子座がPgPgCyCyDpDp又はPgpgCyCyDpDpで表される場合の組み合わせ表であり、表7は、Pg/pg、Cy/cy及びDp/dpで示される遺伝子座がpgpgCyCyDpDpで表される場合の組み合わせ表である。

30

【0178】

例えば、一つの複対立遺伝子H^Tともう一つの複対立遺伝子H^Dが受精し、その組み合わせがH^TH^Dとなった場合は、表6からその色素表現型はPgnCynDpnであり、その花色は紫赤色であり、したがって、フラボノイド3'、5'-水酸化酵素（F3'、5'-H）遺伝子に対応するバンドは、Ef2とEf3の2つであることをこの早見表より速やかに知ることができる。

40

【0179】

一方、フラボノイド3'、5'-水酸化酵素（F3'、5'-H）遺伝子に対応するバンドがEf2とEf3の2つで、花色が紫色で、その色素表現型がDpn型である場合、複対立遺伝子型の組み合わせが、H^FH^D又はH^DH^Fのいずれかであることをこの早見表より速やかに知ることができる。

【0180】

【表 6】

PgPgCyCyDpDp または PgpPgCyCyDpDp の遺伝子座の場合					
♂	HO	HD	HZ	HT	HF
♀ HO	HOHO PgnCynDpn 赤紫色 Ef1Ef1	HOHD PgnCynDpn 紫赤色 Ef1Ef2	HOHZ PgnCynDpn 紫赤色 Ef1Ef2	HOHT PgnCynDpn 赤紫色 Ef1Ef3	HOHF PgnCynDpn 赤紫色 Ef1Ef3
HD	HDHO PgnCynDpn 紫赤色 Ef2Ef1	HDHD Dpn 紫色 Ef2Ef2	HDHZ Dpn 紫色 Ef2Ef2	HDHT PgnCynDpn 紫赤色 Ef2Ef3	HDHF Dpn 紫色 Ef2Ef3
HZ	HZHO PgnCynDpn 紫赤色 Ef2Ef1	HZHD Dpn 紫色 Ef2Ef2	HZHZ Dpn 紫色 Ef2Ef2	HZHT PgnCynDpn 紫色 Ef2Ef3	HZHF CynDpn 紫色 Ef2Ef3
HT	HTHO PgnCynDpn 赤紫色 Ef3Ef1	HTHD PgnCynDpn 紫赤色 Ef3Ef2	HTHZ PgnCynDpn 紫色 Ef3Ef2	HTHT PgnCyn 赤色 Ef3Ef3	HTHF PgnCynDpn 赤紫色 Ef3Ef3
HF	HFHO PgnCynDpn 赤紫色 Ef3Ef1	HFHD Dpn 紫色 Ef3Ef2	HFHZ CynDpn 紫色 Ef3Ef2	HFHT PgnCynDpn 赤紫色 Ef3Ef3	HFHF Pgn 赤色 Ef3Ef3

10

20

30

【 0 1 8 1 】

【表 7】

pppgCyCyDpDp の遺伝子座の場合					
♂	HO	HD	HZ	HT	HF
♀ HO	HOHO CynDpn 赤紫色 Ef1Ef1	HOHD CynDpn 紫赤色 Ef1Ef2	HOHZ CynDpn 紫赤色 Ef1Ef2	HOHT CynDpn 赤紫色 Ef1Ef3	HOHF CynDpn 赤紫色 Ef1Ef3
HD	HDHO CynDpn 紫赤色 Ef2Ef1	HDHD Dpn 紫色 Ef2Ef2	HDHZ Dpn 紫色 Ef2Ef2	HDHT CynDpn 紫赤色 Ef2Ef3	HDHF Dpn 紫色 Ef2Ef3
HZ	HZHO CynDpn 紫赤色 Ef2Ef1	HZHD Dpn 紫色 Ef2Ef2	HZHZ Dpn 紫色 Ef2Ef2	HZHT CynDpn 紫赤色 Ef2Ef3	HZHF CynDpn 紫色 Ef2Ef3
HT	HTHO CynDpn 赤紫色 Ef3Ef1	HTHD CynDpn 紫赤色 Ef3Ef2	HTHZ CynDpn 紫赤色 Ef3Ef2	HTHT Cyn 赤色 Ef3Ef3	HTHF CynDpn 赤紫色 Ef3Ef3
HF	HFHO CynDpn 赤紫色 Ef3Ef1	HFHD Dpn 紫色 Ef3Ef2	HFHZ CynDpn 紫色 Ef3Ef2	HFHT CynDpn 赤紫色 Ef3Ef3	HFHF none 白色 Ef3Ef3

10

20

30

40

【産業上の利用可能性】

【0182】

今回、花色遺伝子型交配法に記載の5つの複対立遺伝子型の遺伝子の構造を明らかにできた。また、それらの構造と当代及び/又は後代に遺伝される花色遺伝を明らかにできた。さらに、CIELab表色系などを用いて花色を正確に測色・数値化した上で、その色素遺伝子型と花色遺伝と遺伝子との関係を明らかにできた。これらの知見によって、本発明は、花卉の新花色作出のための実用的花色改変法と、及び/又は、花卉の開花を迎えずに早期に遺伝子を検定した上で、複対立遺伝子型を帰属し、遺伝する花色を知ることのできる、優れた実用的花色予測法を提供する。

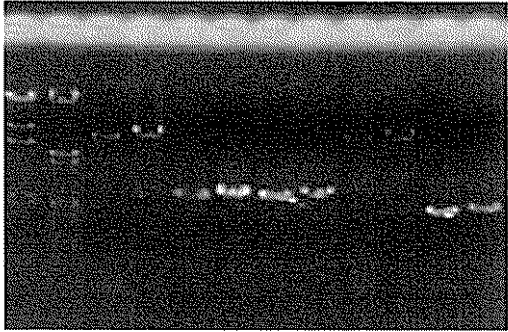
【配列表フリーテキスト】

【0183】

配列番号 5 人工配列の説明：プライマー
 配列番号 6 人工配列の説明：プライマー
 配列番号 7 人工配列の説明：プライマー
 配列番号 8 人工配列の説明：プライマー
 配列番号 9 人工配列の説明：プライマー
 配列番号 10 人工配列の説明：プライマー

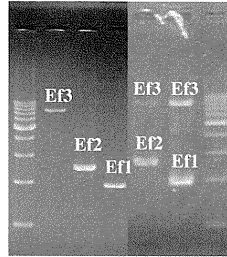
【 図 1 】

M H^T H^D H^Z H^F H^O
(L) (R) (L) (R) (L) (R) (L) (R) (L) (R) (L) (R)

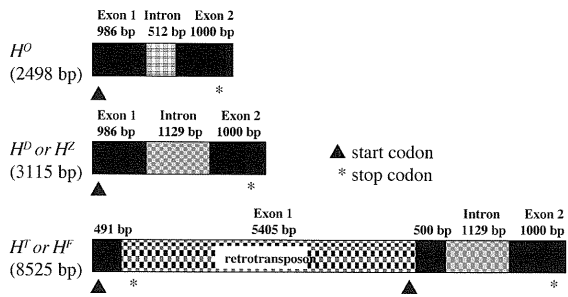


【 図 3 】

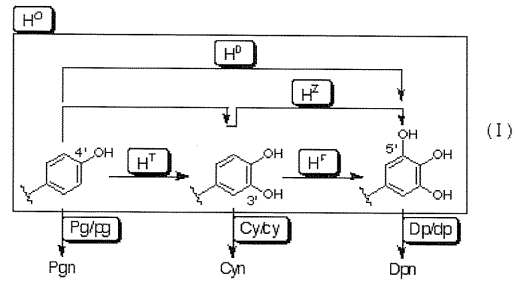
M H^T H^D H^O H^T/H^T/IK
H^D H^O



【 図 2 】



【 図 4 】



【 配列表 】

2012044998000001.app

フロントページの続き

(72)発明者 ヤウワパクソボン ダララク

鹿児島県鹿児島市郡元一丁目2番24号 国立大学法人鹿児島大学内

(72)発明者 坂田 祐介

鹿児島県鹿児島市郡元一丁目2番24号 国立大学法人鹿児島大学内

Fターム(参考) 2B030 AA02 AB04 AD12 CA14 CB03

4B024 AA08 BA79 CA01 DA01 GA11 HA20